Transfusion Medicine, 2008, 18, 379-381

doi: 10.1111/j.1365-3148.2008.00898.x

LETTER TO THE EDITOR

Transfusions of red blood cells from an occult hepatitis B virus carrier without apparent signs of transfusion-transmitted hepatitis B infection

Dear Sir

To minimize the risk of transfusion-transmitted hepatitis B virus (HBV) infections, the Japanese Red Cross (JRC) Blood Centers have adopted a multistep screening system to identify donors at risk of HBV infection. First, donors are examined for the hepatitis B surface antigen (HBsAg) by performing reverse passive haemagglutination tests with a sensitivity of 3 ng mL⁻¹. HBsAg-negative donations are screened for antibodies against HBsAg and the hepatitis B core antigen (anti-HBs and anti-HBc, respectively) by particle haemagglutination and haemagglutination inhibition (HI) tests, respectively. Donations with a high anti-HBs titre ($\geq 2^4$ dilution equivalent to 200 mIU mL⁻¹) or a low or zero anti-HBc titre (≤2⁴ dilution) are defined as 'seronegative'. The cut off value for anti-HBc tests is relatively high compared to that of enzyme-linked_immunoassays (EIAs) because HBV DNA was not detected by an in-house polymerase chain reaction (PCR) in donors who tested negative for HBsAg and positive for anti-HBc at an HI titre less than 25 (Iizuka et al., 1992). Since the introduction of nucleic acid amplification test (NAT) technology, all seronegative donations are pooled (initially, at a pool size of 500 and a current pool size of 20, i.e. 20-NAT) and subjected to NAT (Ampli-NAT, Roche, IN, USA). If the 20-NAT tests positive, the pooled donations are further subjected to individual NAT (ID-NAT) to identify the blood donation that contains the viral genome. The 95% confidence interval of the detection range for HBV in ID-NAT is 22-60 copies of HBV per millilitre (Meng et al., 2001). Donors who did not fall within the algorithm would be either categorized in the window period of 20 NAT or assigned an occult HBV status with a low viral load (reviewed by Raimondo et al., 2007).

Correspondence: Rika A. Furuta, Osaka Red Cross Blood Center, 2-4-43 Morinomiya, Joto-ku, Osaka 536-8505, Japan. Tel.: +81 6 6962 7066; fax: +81 6 6962 7029; e-mail: furuta@osaka.bc.jrc.or.jp

© 2008 The Authors

Journal compilation © 2008 British Blood Transfusion Society

In November 2006, the Osaka Red Cross Blood Center, Japan, identified a repeat donor, namely, a 69year-old female, whose donation was found to be positive for HBV DNA when tested by the latest 20-NAT. According to the guidelines for the safety of transfusion in the JRC Blood Centers, the serological status of the donation was re-evaluated. The donated blood was found to be negative for HBsAg, anti-HBs and anti-HBc by routine testing methods and positive for only anti-HBc when tested using EIA (AxSYM; Abbott Laboratories, Abbott Park, IL, USA), indicating that the donor was an occult HBV carrier with a low anti-HBc titre. We retrieved frozen aliquots of previous donations by this donor and found that sera donated on and after 1 October 1999 tested positive for HBV DNA when tested by ID-NAT. The amount of HBV DNA in these donations was less than 100 copies per millilitre, except for two donations (Table 1). From the 13 donations made by this donor in the abovementioned periòd, 11 components were transfused into recipients (recipient number 1-11 in Table 1). We collected the HBV test records of some of the recipients from the medical institutions where each recipient had been hospitalized. Recipients 3, 6, 7 and 9 had succumbed to their primary disease, and no records were available for recipients 10 and 11. Of the remaining five cases, the HBV test was performed at both the pre- and post-transfusion stages in recipients 1, 4 and 5, but recipients 2 and 8 were tested only at the post-transfusion stage. Recipient 1 was a 70-year-old female who had tested negative for HBsAg and anti-HBc by EIA 2 days prior to transfusion. She was transfused with packed red blood cells (RBCs) and tested negative for HBsAg, anti-HBs and anti-HBc by EIA and negative for HBV DNA by PCR 7 months after the transfusion. These data suggest that the latest RBC component from this occult HBV donor did not cause transfusion-transmitted HBV infection. In recipients 2 and 8, the post-transfusion EIA test results for HBsAg were reported negative. Recipient 4 tested negative for HBsAg by ElA at 11 days before

© 2008 The Authors Journal compilation © 2008 British Blood Transfusion Society, Transfusion Medicine, 18, 379–381

Table 1. HBV status of the donor and recipients

Donor				Recipients							
Date of donation	Pooled NAT	ID-NAT	Copy number per mL	Component	Recipient number	Age (years).	Primary diseases*	Pretransfusion		Post-transfusion	
								HBsAg	Anti-HBc	HBsAg	Other markers
l November 2006	+†	+	ND .	I .							
22 May 2006	-†	· +	<100	RBCs .	. 1	70	(1)		↔	_ ,	-, anti-HBs; -, anti-HBc; -, HBV DNA
15 April 2006	-† .	+	140	RBCs	2	NA .	(2)	NA	NA	_	
26 September 2005	-†	+	. 210	RBCs	3	NA	NA		NA	** .	
27 June 2005	-t	+	<100	 T		•					
10 April 2005	-†	+	<100	RBCs	4	86 ·	NA	- ,	NA ·	⊸ .	-, HBV DNA
15 February 2004	-‡	+	<100	RBCs	5	60	(3)	_	NA		
15 September 2003	-1	+	<100	$\mathbb{P}\!$			•				•
21 March 2003	-‡	+ .	<100	RBCs	6	69	(4)		NA	**	
l March 2002	- ‡	+	<100	RBCs	7 .	51	(5)	- NA	NA		
1 July 2002	-‡	+ .	<100	RBCs	8	41	(6)	NA.	NA	_	
15 January 2001 .	-‡	+	<100	RBCs ·	9	57	(7)	NA	NA ·	**	·
l October 1999	- §	+	<100	RBCs	10	NA	NA	NA	NA ··	NA	•
15 April 1999	-§		ND	RBCs	11	· NA	NA	·NA	NA	NA	•

NA, not applicable; ND, not determined.
*Primary Diseases: (1), perforation of sigmoid diverticulum; (2), transverse colon cancer; (3), bleeding gastric ulcer; (4), operative diseases; (5) operative diseases; (6), gastric ulcer; and (7), ovarian cancer.

^{†20-}pooled. ‡50-pooled. §500-pooled.

Mot used.

^{**}Decease by the primary disease.

transfusion with RBCs. Furthermore, she tested negative for HBsAg at both 17 and 19 months after the transfusion. In addition, PCR results for this patient were negative for HBV DNA 21 months after transfusion. In recipient 5, it was reported that both pre- and post-transfusion sera tested negative for HBsAg by EIA. Although no further reports suggesting any signs of HBV transmission in recipients 2, 4, 5, and 8 have been filed with our blood centre, the HBV test records of these four recipients are insufficient to determine whether transfusion-transmitted HBV infection occurred.

Kanagawa Red Cross Blood Center, Japan, recently reported a case of transfusion-transmitted HBV infection caused by an individual with an occult HBV infection who had repeatedly donated platelets and whose viral load fluctuated around the limit of HBV detection level by the ID-NAT (Inaba et al., 2006). It is noteworthy that the component transfused in this case was a platelet concentrate containing approximately 200 mL of plasma; on the other hand, in our subjects, the transfused component was packed RBCs including 10-15 mL of plasma. A more recent look-back study on transfusion-transmitted HBV infection conducted by the JRC Blood Center identified that only one of the 33 components obtained from occult HBV donors caused the HBV infection (Satake et al., 2007). This particular patient was transfused with 450 mL of fresh frozen plasma. The same study also demonstrated that 11 of the 22 components donated during the mini-pool NAT window period resulted in transfusion-transmitted HBV infection. Although the results of recipient 1 in our case appear to be consistent with those in the look-back study, data available in the literature suggest that occult HBV infection is transmissible, especially in endemic areas (reviewed by Liu et al., 2006). To clarify the potential risks of blood components from occult HBV donors, many more cases need to be analysed in detail, where the total amount of HBV in the component transfused, the presence or absence of HBV antibodies in the component, the immunological status of the recipient, the HBV genotype and/or the presence of mutation(s) should be assessed.

The peculiar criterion of seronegative used in the JRC Blood Centers was a practical solution to exclude donors with a risk of HBV infection, without excessively reducing the size of the donor pool. This criterion was introduced because the prevalence of HBV infection, when serological testing was introduced, was relatively higher in Japan than in other

industrialized countries. Our serological screening, however, has failed to identify a few occult HBV carriers with a low anti-HBc titre and a low viral DNA. JRC has been re-evaluating the efficacy of our screening strategy by follow-up surveys, including the present study, and exploring options to be adopted to minimize the risk not only by the occult HBV carrier but also by donors in the 20-NAT window period.

Although we consider that the current possibility of HBV transmission by occult HBV carriers with a low anti-HBc titre is limited in Japan, this consideration cannot be generalized to countries with different HBV prevalence as mentioned above. Once the cut off value of the anti-HBc titre confirming the HBV-DNAnegative status of the donor blood is more rigorously determined, our serological screening algorithm may be an acceptable option in areas of intermediate or high HBV endemicity where NAT is unavailable.

R. A. Furuta, * Y. Kondo, * T. Saito, * M. Tomita, * K. Oka, * Y. Kishimoto, † Y. Tani * & T. Shibata * *Osaka Red Cross Blood Center, Japanese Red Cross Society, Osaka, Japan and †Department of Hematology and Oncology, Kansai Medical University, Osaka, Japan

REFERENCES

lizuka, H., Ohmura, K., Ishijima, A. et al. (1992) Correlation between anti-HBc titers and HBV DNA in blood units without detectable HBsAg. Vox Sanguinis, 63, 107-111.

Inaba, S., Ito, A., Miyata, Y. et al. (2006) Individual nucleic amplification technology does not prevent all hepatitis B virus transmission by blood transfusion. Transfusion, 46, 2028-2029.

Liu, C.J., Chen, D.S. & Chen, P.J. (2006) Epidemiology of HBV infection in Asian blood donors; emphasis on occult HBV infection and the role of NAT. Journal of Clinical Virology, 36 (Suppl. 1), S33-S44.

Meng, Q., Wong, C., Rangachari, A. et al. (2001) Automated multiplex assay system for simultaneous detection of hepatitis B virus DNA, hepatitis C virus RNA, and human immunodeficiency virus type 1 RNA. Journal of Clinical Microbiology, 39, 2937-2939.

Raimondo, G., Pollicino, T., Cacciola, I. & Squadrito, G. (2007) Occult hepatitis B virus infection. Journal of Hepatology, 46, 160-170.

Satake, M., Taira, R., Yugi, H., Hino, S., Kanemitsu, K., Ikeda, H. & Tadokoro, K. (2007) Infectivity of blood components with low hepatitis B virus DNA levels identified in a lookback program. Transfusion, 47, 1197-1205.

研究報告 調査報告書

識別番号·報告回数		報告日	第一報入手日 2009. 2. 18	新医薬品 該当		総合機構処理欄
一般的名称	乾燥濃縮人血液凝固第哑因子		小松 陽樹、乾 あやの		公表国	•
販売名(企業名)	クロスエイトM250(日本赤十字社) クロスエイトM500(日本赤十字社) クロスエイトM1000(日本赤十字社)	研究報告の公表状況	藤澤 知雄. 第40回日 症学会総会·学術集 15-16; 名古屋市.	本小児感染 会; 2008 Nov	日本	

【目的】小児における母子感染以外のHBV感染の実態を分子疫学的に把握する。

【方法】成人および小児HBVキャリア82名中で、母親がHBsAg陰性かつ患児以外にHBVキャリアが存在する7家族を対象とし |HBV全遺伝子解析を行い、分子系統樹を用い感染源を検索した。

【成績】HBsAg陽性例は、父親が4家族、兄弟のみが2家族(両親はHBVマーカー陰性)、祖母が1家族であった。血清が得られ た7家族中3家族(2家族;父親HBsAg陽性、1家族;祖母HBsAg陽性)を対象にHBV遺伝子解析を行った。Family1は長女3歳が HBVキャリアと判明し、父親および長男6歳がHBsAg陽性、母親はHBsAb陽性であった。Family2は次男4歳がHBVキャリアと判 |明し、長男9歳、長女2歳がHBsAg陽性、母親がHBsAb陽性であった。Family3は、12歳女児がB型劇症肝炎と診断され、祖母が HBVキャリア、同居の従弟が同時期にB型急性肝炎と診断された。分子系統樹解析ではいずれも家族でも高い相同性を示し、 |それぞれ1つのクラスターを形成したため同じ感染源であると考えられた。

【考察】アジア諸国の中でHBV浸淫度が比較的低いと考えられる本邦でも、母子感染以外のHBV感染経路は無視できない。7家 VCJD等の伝播のリスク 族中3家族で父親以外の感染源の可能性があり、祖母からの感染は分子疫学的に感染経路を証明できた。

【結語】母子感染など感染リスクが高い集団に対してのみワクチン接種を行う"target strategy"ではこのような水平感染を完全に |防止することは不可能であり、本邦でuniversal vaccinationが必要と考えられた。

使用上の注意記載状況・ その他参考事項等

クロスエイトM250 クロスエイトM500 クロスエイトM1000

血液を原料とすることに由来す |る感染症伝播等

報告企業の意見

母親がHBsAg陰性かつ家族内に患者以外のHBVキャリアが存 3家族で父親以外の感染源の可能性があり、祖母からの感染は 分子疫学的に感染経路を証明できたとの報告である。

これまで、本剤によるHBV感染の報告はない。また本剤の製造 工程には、平成11年8月30日付医薬発第1047号に沿ったウイ ルス・プロセスバリデーションによって検証された2つの異なるウ イルス除去・不活化工程が含まれている。さらに最終製品につ いてHBV-NAT陰性であることを確認していることから、特別の 対応を必要としないと考える。

今後の対応

今後も引き続き情報の収集に努める。なお、日本赤十字社では献血 在する成人および小児HBVキャリア7家族を対象とし、HBV全遺|時のスクリーニング法としてより感度の高い化学発光酵素免疫測定法 (CLEIA) および新NATシステムを導入し、陽性血液を排除している。



【研究奨励賞】

母子感染以外の HBV 感染による HBV E-20 DNA の解析

小松 陽樹、乾 あやの、十河 剛、藤澤 知雄 済生会横浜市東部病院こどもセンター

【目的】小児における母子感染以外の HBV 感染の 実態を分子疫学的に把握する。【方法】当科でフォ ロー中の成人および小児 HBV キャリアー82 名の なかで母親が HBs 抗原陰性かつ患児以外に HBV キャリアが存在する7家族を対象とした。HBs抗 原陽性の家族から得られた血清を用いて HBV 全 遺伝子解析を行い、分子系統樹を用いて感染源の 検索を行った。【成績】父親が HBs 抗原陽性例は 4家族、兄弟のみ HBs 抗原陽性例は2家族 (両親 はHBVマーカー陰性)、祖母HBs 抗原陽性例は1 家族であった。7家族中3家族(2家族:父親 HBsAg 陽性、1家族;祖母 HBsAg 陽性) にて家 族から血清が得られ、この3家族を対象に HBV 遺 伝子解析を行った。Family1 は長女3歳が伝染性単 核球症罹患時の血液検査にて HBV キャリアが判 明。家族内検索にて父親および長男5歳が HBsAg 陽性、母親はHBsAb 陽性。Family2 は次男4歳が 胃腸炎症罹患時の血液検査にて HBV キャリアが 判明。家族内検索にて父親、長男9歳、長女2歳 が HBsAg 陽性、母親は HBsAb 陽性。 Family 3 は、 12 歳女児が黄疸と全身倦怠感を主訴に来院し、B 型劇症肝炎と診断された。祖母が HBV キャリアで あり、同居していた。同時期に従弟はB型急性肝 炎と診断された。分子系統樹解析では、3家族に おいていずれも高い相同性を示すとともに、各家 族がそれぞれ1つのクラスターを形成し、同じ感 染源であると考えられた。【考案】アジア諸国の中 で HBV 浸淫度が比較的低いと考えられる本邦で も、父子感染など母子感染以外の HBV 感染経路は 無視できない。7家族中3家族で父親以外の感染 源の可能性があり、祖母からの感染は分子疫学的 に感染経路を証明できた。【結語】母子感染など感 染リスクが高い集団に対してのみワクチン接種を 行う" target strategy"ではこのような水平感染を完 全に防止することは不可能であり、本邦で universal vaccination が必要と考えられた。

治療後もβ-D-グルカン高値が持続するカ E-21 ンジダ血症の一例

芳明、安藤 智晓、石川 順一、赤城 邦 神奈川県立こども医療センター感染免疫科

β-D-V ルカンは真菌細胞壁の主要成分であり、 特にカンジダ感染症では感度の高い検査法として 頻用され**大**いる。今回我々は、カンジ**が**血症に対 して抗真菌剤の治療を行い、臨床症状、培養を含 む検査デースから治癒と考えられる状態に至った にもかかわらず、β-D-グルカン異常高値のみが持 続する男児例を経験したので報告する。 生来健康な4歳男児。腹痛、下痢、嘔吐のため近 医数回受診の後、第8病日前医人院。第12病日皮 下出血斑に気づかれ、アレルギー性紫斑病と診断 されプレドニン 2mg/kg/d 開始されたところ翌日ご は腹痛消失。しかし食事開始すると腹痛・血便が 再燃するため食止・再開を繰り返し、PSL開始 15 日目に当院転院。PSL A第 13 因子製剤で治療継続 していたところ、入院 3 | 日目より発熱。血液培養 で Candida parapsilosis が食出されたため MCFG は て治療開始。入院 11 日 日 血液培養で再度同菌が 検出されたためボリクナゾャルを併用し、その後 解熱したが入院 13 日目の血液培養でも陰性化し ていなかったため 、眼科受診、腹部超音波、腹部 CT、頭部 CT、 心臓超音波などで全身検索を行っ たが、膿瘍形成や感染性心内膜炎を示唆する所見 は得られなかるた。抗真菌剤は2週間点滴で使用 した後 VCZ+FCZ 内服に変更、再発熱や炎症反応 の増悪がみられないことを確認して外来フォロー とした。血中 B-D-グルカンは入院時すでに 1610pg/m/と高値であったがその後も増加し、退院 前の最高値 3460pg/ml、退院後も発熱などの症状は ないが 7400pg/ml まで上昇した。抗真菌剤開始後 は腹部症状消失していたがむしろ便秘傾向であっ たため、緩下剤を開始し、抗真菌剤は合計約2% 月で中止とした。その後は緩やかに低下傾向であ るが、発症から 8 ヶ月経った段階でまだ 884pg/ml と高値が続いている。