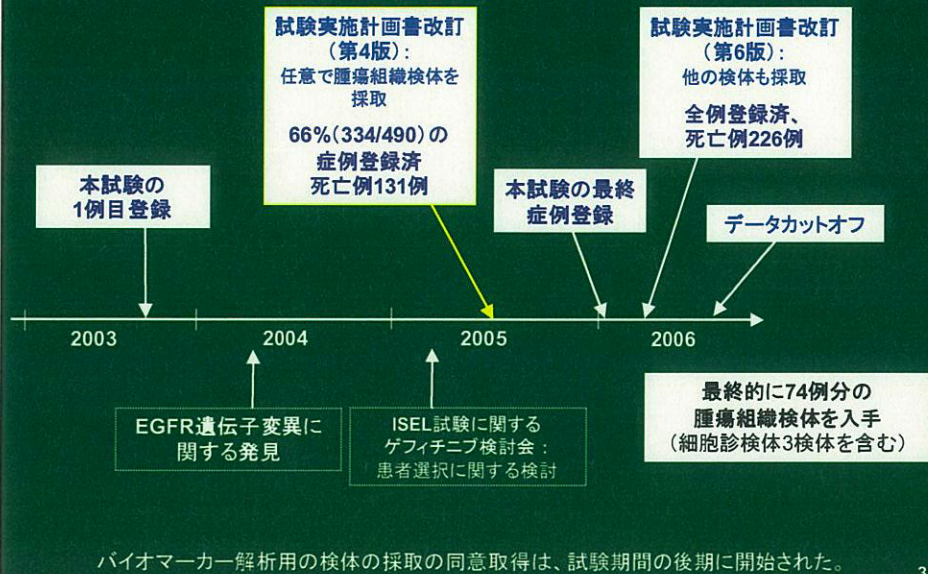


本試験の実施とEGFR遺伝子変異検討に関する経緯



31

検体を提供した患者及び全体での患者背景

| N (%) | EGFR遺伝子変異評価可能例 (N=57) | 全体 (N=489) |
|------------------------|-----------------------|------------------|
| 女性 | 29 (51%) | 187 (38%) |
| 喫煙歴なし | 27 (47%) | 158 (32%) |
| 腺癌 | 46 (81%) | 380 (78%) |
| PS 0 | 27 (47%) | 178 (36%) |
| 罹病期間 >12ヵ月 | 31 (54%) | 163 (33%) |
| 前化学療法におけるベストレスポンスCR/PR | 26 (46%) | 219 (45%) |
| 全生存期間 ハザード比及び95%信頼区間 | 1.24 (0.45-3.42) | 1.12 (0.89-1.40) |
| 無増悪生存期間 ハザード比及び95%信頼区間 | 0.87 (0.42-1.80) | 0.90 (0.72-1.12) |
| 奏効率 ゲフィチニブ割付群 | 30.0% (6/20) | 22.5% (45/200) |
| 奏効率 ドセタキセル割付群 | 25.0% (5/20) | 12.8% (24/187) |

試験全体の患者のうち11.7%からEGFR遺伝子変異の評価が可能な検体が得られた

なお、全検体中での遺伝子変異陽性の割合は54.4% (31/57) であった (遺伝子配列測定により遺伝子変異を測定)

評価可能な検体が得られた患者群は本試験の患者全体を代表していなかった

32