

薬剤耐性遺伝子が、

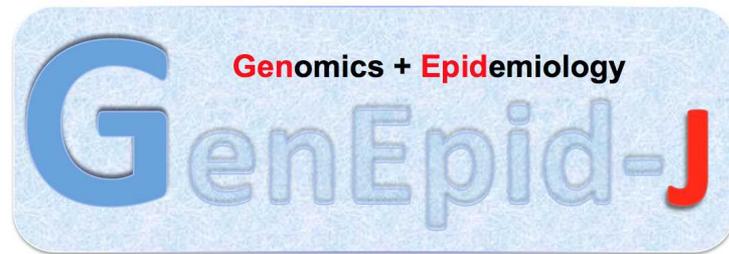
- いつ、どこで
- どのような臨床・家畜検体
- どの菌種、どの遺伝型の菌株
- どのような伝達プラスミド

を迅速検索できるデータベース

薬剤耐性腸内細菌科細菌を中心に

(2016年11月)

1,957株



患者 :	1,467
家畜 :	357
環境 :	133



5,162 プラスミド (draft)
(現状、AMED研究班員のための Closed database)

(参考) 世界の公共データベース(2016年11月)
8,491 プラスミド (complete 完全長配列)

GenEpid-J 解説・登録数の外観のみマップ表示



GenEpid-J Database Public Disclosure

https://gph.niid.go.jp/gs_app/genepid-j_release/

Sequences Distribution (Map)

AMR



Cholera

E.coli

Dengue

Norovirus

Salmonella

Staphylococcus

TB

What's GenEpid-J ? --- Genomics + Epidemiology ---

GenEpid-J: An integrated database of pathogen genomics and epidemiology focused on plasmids involving in the antimicrobial resistance

Developed by [Pathogen Genomics Center, NIID \(Japan\)](#)

Announcements

13 Jan 2017 | GenEpid-J Database Public Disclosure Page is available.

Analyzing Tools



MePIC

Metagenomics Pathogen Identification for Clinical Specimens



TGS-TB

Total Genotyping Solution for Mycobacterium tuberculosis



VirusTAP

Viral Genome-Targeted Assembly Pipeline

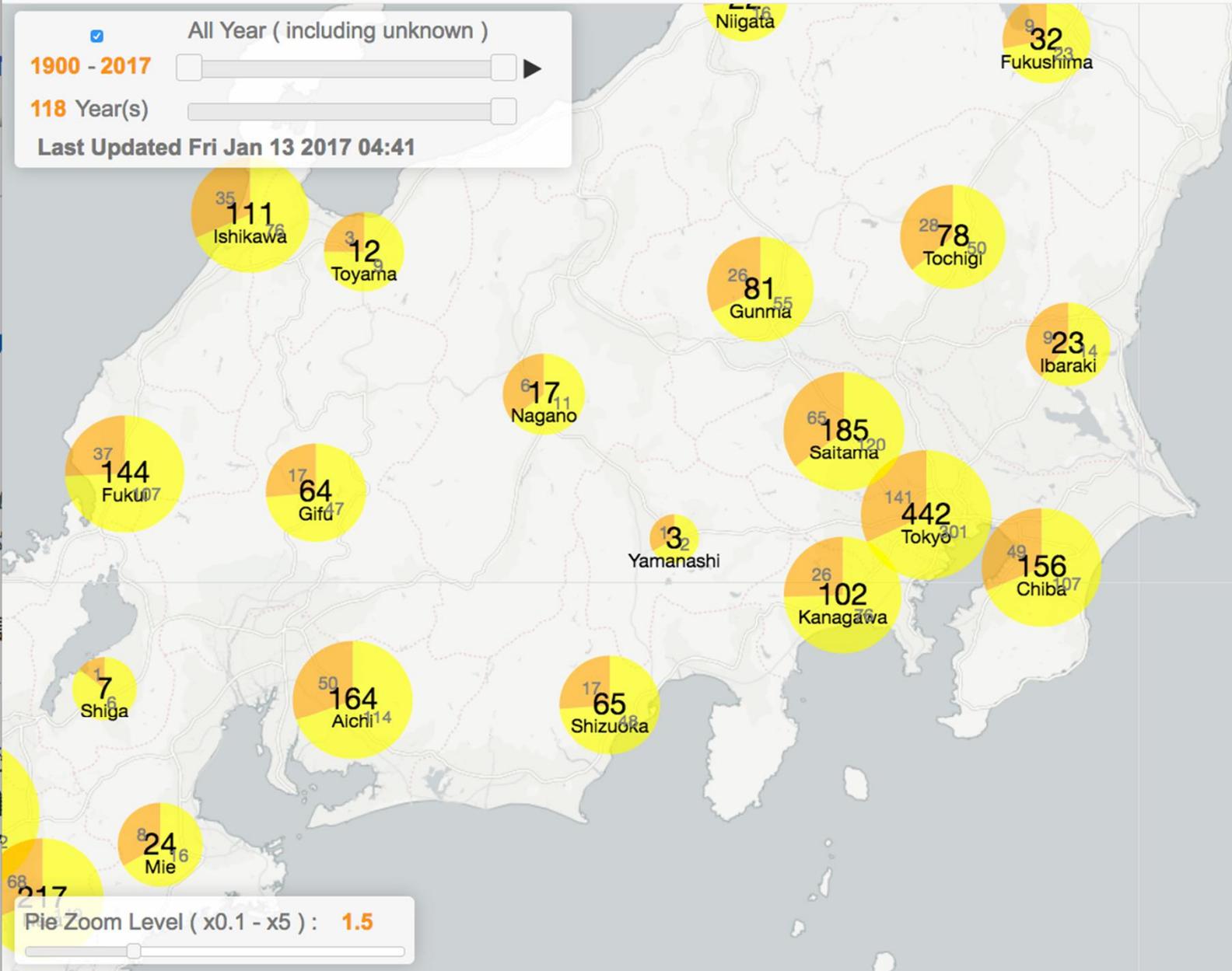
All Year (including unknown)

1900 - 2017

118 Year(s)

Last Updated Fri Jan 13 2017 04:41

- All Category
- plasmid
- chromosome
- whole
- metagenome
- N/A

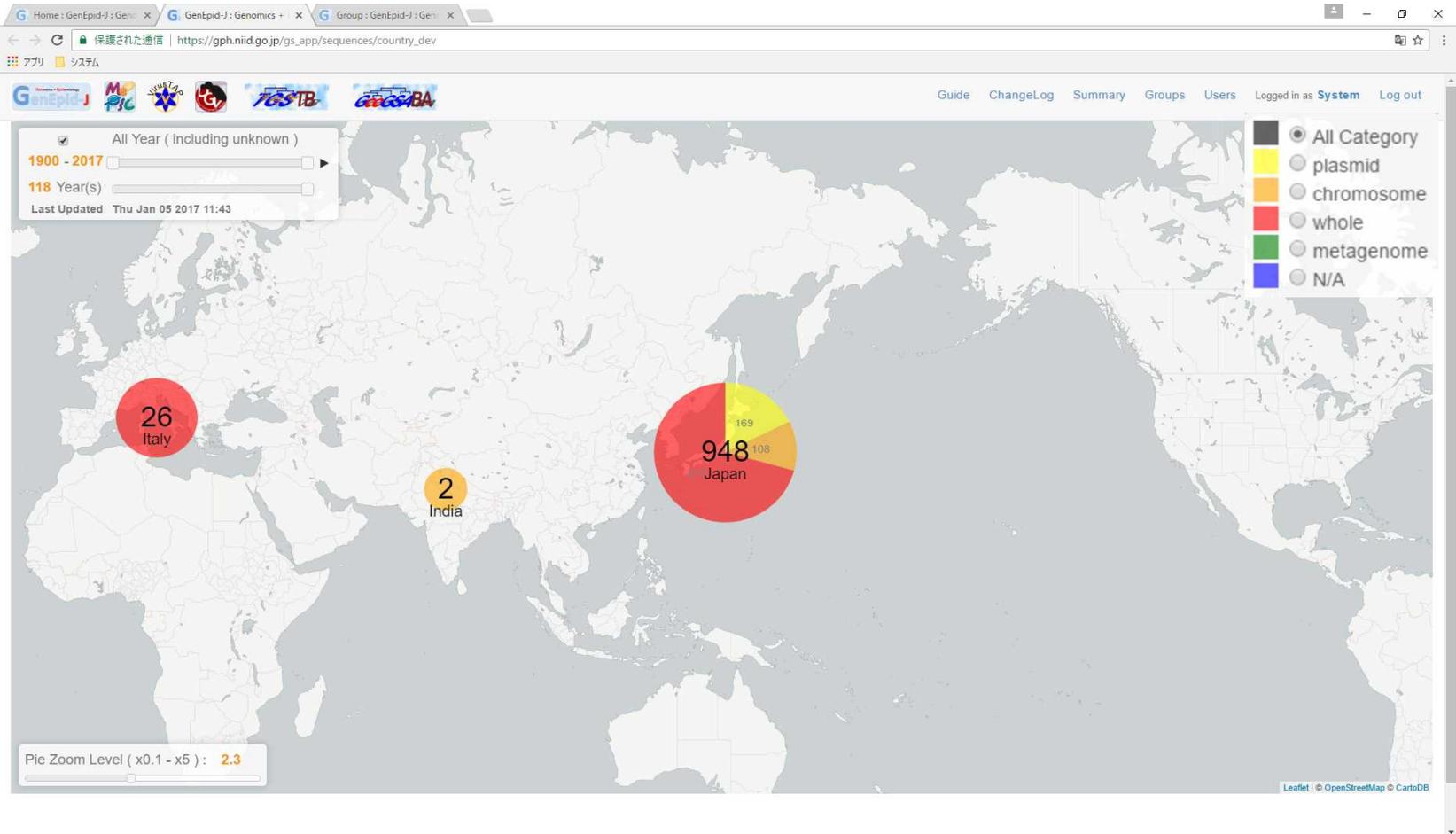


Pie Zoom Level (x0.1 - x5) : 1.5

例 Salmonella

地方衛生研究所・動衛研等の日本メンバー登録

Country 分布



今後の進展および希望的観測

米国FDA は4万株を超えるSalmonella ゲノムデータを蓄積済み

<http://www.fda.gov/Food/FoodScienceResearch/WholeGenomeSequencingProgramWGS/ucm403550.htm>

<http://www.fda.gov/Food/FoodScienceResearch/WholeGenomeSequencingProgramWGS/ucm363134.htm>



NCBI 公開データベースから**サルモネラ**
～7万株 を GenEpid-J にも格納し、
各位ご提供の解読株の分子系統比較をシームレスに実施できる体制を整備する
(**おそらく、半年以上の時間が必要です**)



最終的には、海外株との比較のみではなく、
自治体・地研各位のデータも比較解析できるよう、国内の流通経路推定へと役立てられないかと考えています。

Total Number of Sequences in the GenomeTrakr Database

