

令和8年7月分の入国時感染症ゲノムサーベイランス結果の概要

- 5 空港で有症状かつ調査への協力を得られた者：**86名**
うち 新型コロナウイルスの陽性者：**19名**
新型コロナウイルス以外の検査項目の陽性者：**49名**
検査結果が陽性とならなかった者（検出限界以下の場合等）：**22名**
※総計と内訳は一致しない

- ① 新型コロナウイルスのゲノム解析結果は、以下のとおり（※下位系統を含む）。

親系統	子系統	孫系統	再附番	件数
BA.2	BA.2.86	BA.2.86.1	RF.5	2
			RF.5.3	1
BA.3	BA.3.2	BA.3.2.2	SS.2	1

※ゲノム解析にはNextclade(version :3.21.2/3.23.0)を用いている。
※7月分の新型コロナ陽性者のうち、3名はゲノム解析で判定不能。

組換え体	件数
PQ.16.1.1(NB.1.8.1の下位系統)	1
PQ.17(NB.1.8.1の下位系統)	1
RK.1(PQ.17.7.2の下位系統)	2
SV.1(PQ.16.1.1の下位系統)	1
SV.2(PQ.16.1.1の下位系統)	3
XFG.1.1(LF.7とLP.8.1.2の組換え体)	1
XFG.1.1.6(LF.7とLP.8.1.2の組換え体)	1
XFG.6.13(LF.7とLP.8.1.2の組換え体)	1
XFG.14.1(LF.7とLP.8.1.2の組換え体)	1

- ② 新型コロナウイルス以外の解析結果は、以下のとおり。

病原体遺伝子		件数
A型インフルエンザウイルス	A/H1pdm09	8
	A/H3	11
B型インフルエンザウイルス		1
アデノウイルス		1
季節性コロナウイルス		0
ヒト・メタニューモウイルス		1
ライノウイルス/エンテロウイルス		28

病原体遺伝子	件数
パラインフルエンザウイルス	4
RSウイルス	0
パラ百日咳菌	0
百日咳菌	0
クラミジア・ニューモニエ	0
マイコプラズマ・ニューモニエ	1

*1：季節性コロナウイルスには、229E、HKU1、NL63、OC43の4種が含まれる。
*2：パラインフルエンザウイルスには、1～4型が含まれる。

