

入国時感染症ゲノムサーベイランスの解析結果（概要）

- ・対象は、5月分（5月8日～5月31日）
- ・5空港で有症状かつ任意の協力を得られた者：**114名**
- ・5空港で有症状かつ任意の協力を得られた者のうち新型コロナ陽性者：**71名**
- ・5月分のゲノム解析結果は、以下のとおり。いずれも日本で検出済み（※下位系統を含む）。

親系統	子系統	件数	孫系統	件数	再附番	件数		
XBB	XBB.1.5	4	XBB.1.5.7	1				
			XBB.1.5.24	2				
			XBB.1.5.48	1				
			XBB.1.5.69	1				
	XBB.1.9	XBB.1.9.1			2	FL.1	2	
				FL.2		3		
				FL.4		2		
				FL.10		1		
		XBB.1.9.2				1	EG.1	2
					EG.2		1	
					EG.4		1	
					EG.5.1		5	
	XBB.1.16	14		XBB.1.16.1	6	FU.1	2	
				XBB.1.16.2		2		
				XBB.1.16.5		1		
	XBB.1.22			XBB.1.22.1		FY.3	4	
	XBB.1.24			XBB.1.24.1	1			
	XBB.1.37			XBB.1.37.1	1			
	XBB.2.3	1		XBB.2.3.2	2			
				XBB.2.3.3	2			
XBB.2.3.8				1				
BN.1	BN.1.2		BN.1.2.3		FR.1	1		

※ゲノム解析にはNextclade(version : 2.14.1)を用いている。

※5月分の新型コロナ陽性者のうち、3名はゲノム解析で判定不能。

Table with columns: 採得年月 (Year/Month), 年齢 (Age), 行動圏 (Action Area), 性別 (Gender), 国/県 (Country/County), 罹病機 (Disease Mechanism), 罹病期 (Disease Stage), 罹病経路 (Disease Pathway), 罹病手段 (Disease Method), 新型コロナウイルス (SARS-CoV-2), 新型コロナウイルスの変異種 (Variant), 遺伝子変異 (Genetic Mutation), 遺伝子変異の種類 (Type of Genetic Mutation), 遺伝子変異の位置 (Location of Genetic Mutation), 遺伝子変異の影響 (Impact of Genetic Mutation), 遺伝子変異の検出 (Detection of Genetic Mutation), 遺伝子変異の機能 (Function of Genetic Mutation), 遺伝子変異の意義 (Significance of Genetic Mutation), 遺伝子変異の解析 (Analysis of Genetic Mutation), 遺伝子変異の応用 (Application of Genetic Mutation), 遺伝子変異の将来 (Future of Genetic Mutation), Lineage (pango lineage), version.

*A/H1N1亜型インフルエンザウィルス：2009年に出現した新種のA/H1N1亜型インフルエンザウィルス

*A/H1N1亜型インフルエンザウィルス：2009年に出現した新種のA/H1N1亜型インフルエンザウィルスとして出現したH1N1亜型インフルエンザウィルス