全国のゲノムサーベイランスによる系統別検出状況（国立感染症研究所）

第3回厚生科学審議会予防接種ワクチン分科会
研究開発及び生産・流通部会
季節性インフルエンザワクチン及び新型コロナワクチンの製造株について検討する小委員会

資料
2-2

2025（令和7）年5月28日

新型コロナウイルスゲノムのPANGO Lineage変遷（1月単位）

Lineageの検出数(積み上げ)

Lineageの割合

(2025年5月21日現在)

Pango lineage (Nextclade 3.13.3)	検体数 (2025年4月)	割合
KP.3系統	17	9.60%
PE.1	4	2.26%
MC.10.1	3	1.69%
KP.3.1.1	2	1.13%
MC.1	2	1.13%
Others	6	3.39%
XEC系統	94	53.11%
XEC	27	15.25%
XEC.4	25	14.12%
XEC.2	13	7.34%
XEC.8	5	2.82%
XEC.4.1	5	2.82%
XEC.20.1	5	2.82%
XEC.30	4	2.26%
XEC.2.2	4	2.26%
XEC.25.1	2	1.13%
Others	4	2.26%
その他	66	37.29%
NB.1.8.1	12	6.78%
XEK.1	3	1.69%
LP.8.1.1	2	1.13%
Others	9	5.08%
Unassigned	40	22.60%
総計	177	100.00%

- XEC系統とその亜系統がやや減少に転じている
- KP.3系統とその亜系統は減少を続けている

※Nextclade ver.3.13.3により解析
 ※2025年4月より、急性呼吸器感染症サーベイランスの一環として、地方衛生研究所で解析されたゲノム解析結果を集計
 ※グラフは表示上限数により表示期間中の検出数で上位125番目までのlineage名を記載し、それ以下のlineageはothersとして記載
 ※表は検出割合が1%未満のlineageはOthersとして記載
 ※今後、解析データの追加登録が行われ、数値の変動があることに留意

全国のゲノムサーベイランスによる系統別検出状況（国立感染症研究所）

新型コロナウイルスゲノムのPANGO Lineage変遷（2025年2～4月）（2025年5月21日現在）

	検体数			割合		
	2月	3月	4月	2月	3月	4月
KP.3系統	352	148	17	20.67%	16.05%	9.60%
KP.3.1.1	44	25	2	2.58%	2.71%	1.13%
MC.1	54	21	2	3.17%	2.28%	1.13%
MC.10.1	35	9	3	2.06%	0.98%	1.69%
PB.1	28	24	1	1.64%	2.60%	0.56%
PE.1	8	2	4	0.47%	0.22%	2.26%
Others	183	67	5	10.75%	7.27%	2.82%
XEC系統	1020	597	94	59.89%	64.75%	53.11%
XEC	477	199	27	28.01%	21.58%	15.25%
XEC.4	166	160	25	9.75%	17.35%	14.12%
XEC.2	135	78	13	7.93%	8.46%	7.34%
XEC.8	57	33	5	3.35%	3.58%	2.82%
XEC.4.1	29	32	5	1.70%	3.47%	2.82%
XEC.20.1	17	11	5	1.00%	1.19%	2.82%
XEC.30	10	6	4	0.59%	0.65%	2.26%
XEC.2.2	12	8	4	0.70%	0.87%	2.26%
Others	117	70	6	6.87%	7.59%	3.39%
その他	331	177	66	19.44%	19.20%	37.29%
LP.8.1	59	13	1	3.46%	1.41%	0.56%
XEK	33	11	0	1.94%	1.19%	0.00%
LP.8.1.1	24	14	2	1.41%	1.52%	1.13%
XEK.1	9	10	3	0.53%	1.08%	1.69%
NB.1.8.1	0	4	12	0.00%	0.43%	6.78%
Others	52	18	8	3.05%	1.95%	4.52%
Unassigned	154	107	40	9.04%	11.61%	22.60%
総計	1703	922	177	100%	100%	100%

※Nextclade ver.3.13.3により解析

※2025年4月より、急性呼吸器感染症サーベイランスの一環として、地方衛生研究所で解析されたゲノム解析結果を集計

※表は①2025年2月～4月の間で2月以上で検出割合が1%以上のlineageと②4月に検出割合1%以上で2月以上で検出があったlineageを記載。

上記に該当しないlineageはOthersとして集計。

※今後、解析データの追加登録が行われ、数値の変動があることに留意

新型コロナウイルスの進化と新型コロナウイルスワクチンの抗原組成 (WHO)

Phylogeny of SARS-CoV-2 variants since its introduction in humans illustrated using Nextstrain.

The year is shown on the x axis and various clades labeled as Nextclade (Pango lineage) at the branches. Clades that included vaccine antigen are indicated with the date of previous TAG-CO-VAC recommendations for vaccine antigen composition

注目すべき変異株（VOI）と監視下の変異株（VUM）に関する世界のデータ（WHO）

世界の新型コロナウイルスの変異株の分布

Global frequency over time

Global frequency (as of Apr 2025)	Isolated viruses (JIHS)
JN.1 subvariants 14.3%	JN.1 (EIS01-552MU)
KP.3 subvariants 3.8%	KP.3.1.1 (EIS10-218)
LF.7 subvariants 14.6%	LF.7.2.1 (EIS11-142)
LP.8 subvariants 32.4%	LP.8.1 (EIS11-180)
XEC subvariants 20.0%	XEC (EIS10-793)

▶ LP.8とその亜系統は、現在世界で主流の変異株であり、32.4%を占める。

*Global frequency data is cited from GISAID.