倫理的法的社会的課題研究事業　中間・事後評価委員名簿

（〇：委員長）

位田　隆一	（一社）国立大学協会・専務理事
生命倫理	
	＜研究論文例＞ Looking back: three key lessons from 20 years of shaping Japanese genome research regulations・Jusaku Minari, M.Yokono, K.Takashima, M. Kokado, Ryuichi Ida, Y. Hishiyama・Journal of Human Genetics (2021) 66:1039-1041
	＜著作例＞ 「生命倫理と医療倫理　第４版」(共著)（第１章生命倫理の今日的課題）（伏木信次他編）金芳堂（2020）
	＜研究論文例＞ Development of Precision Medicine and Sustainable Biobank-Through Experiences of Japanese Biobanks-, IDA,R., 2019 Symposium of Taiwan Society for Biopreservation and Biobanking :Toward a Sustainable Taiwan Biobank & Ethical Governance Framework, 2019

大屋　雄裕	慶應義塾大学法学部教授
法哲学	
	＜研究論文例＞ Takehiro OHYA, "AI and Judiciary Decisions", in: Catherine Régis, et. al. (eds.), *Human-Centered AI: A Multidisciplinary Perspective for Policy-Makers, Auditors, and Users*, Chapman and Hall / CRC, 2024/3, ch. 13, pp. 141-150.
	＜著作例＞ 大屋雄裕「パンデミック・監視・自己決定」林良嗣・森田紘圭（編）『感染症とソーシャルディスタンシング：COVID-19による都市・交通・コミュニティの変容と設計』第６章、明石書店、2022/12、pp. 112-131。
	＜著作例＞ 大屋雄裕「信用・信頼・信託：責任と説明に関する概念整理」『人工知能』39巻３号（2024年５月号）、人工知能学会、2024/5、pp. 409-416

○

齋藤　加代子	東京女子医科大学ゲノム診療科
遺伝子医学、ゲノム医療	
＜研究論文例＞ Ito M, Yamauchi A, Urano M, Kato T, Matsuo M, Nakashima K, Saito K. Epidemiological investigation of spinal muscular atrophy in Japan. Brain Dev. 2022;44:2-16.	
＜著作例＞ 脊髄性筋萎縮症（SMA）診療の手引き編集委員会（編）（代表：齋藤加代子）. 脊髄性筋萎縮症（SMA）診療の手引き. メディカルレビュー社, 東京, 2022	
＜学術的発表例＞ Saito K, Nagao R, Tsuchida K, Teshima R, Kawase K. Real-world assessment of onasemnogene abeparvovec treatment in patients with spinal muscular atrophy: insight from RESTORE post-marketing surveillance in Japan. 27th International Hybrid Annual Congress if the World Muscle Society, Halifax, Canada, October 12, 2022	

平野　晋	中央大学 国際情報学部 教授・学部長
法律学	
＜著作例＞ 『ロボット法：ヒトと AI の共生にむけて（増補第２版）』平野晋・弘文堂・2024 年 5 月	
＜研究論文例＞ 「AI に不適合なアルゴリズム回避論： 機械的な人事採用選別と自動化バイアス」平野晋・『情報通信政策研究』（総務省）第７巻２号 I-1 頁・2024 年 3 月（招待あり）	
＜学術的発表例＞ 「AI の判断に対するヒトの最終決定権の限界：Human-in-the Loop の問題」平野晋・情報通信法学研究会（総務省）・2023 年 9 月（招待あり）	

宮野　悟	東京医科歯科大学M&Dデータ科学センター特任教授
バイオインフォマティクス	
＜研究論文例＞ Evolutionary histories of breast cancer and related clones. Nishimura T, Kakiuchi N, Yoshida K, Sakurai T, Kataoka TR, Kondoh E, Chigusa Y, Kawai M, Sawada M, Inoue T, Takeuchi Y, Maeda H, Baba S, Shiozawa Y, Saiki R, Nakagawa MM, Nannya Y, Ochi Y, Hirano T, Nakagawa T, Inagaki-Kawata Y, Aoki K, Hirata M, Nanki K, Matano M, Saito M, Suzuki E, Takada M, Kawashima M, Kawaguchi K, Chiba K, Shiraishi Y, Takita J, Miyano S, Mandai M, Sato T, Takeuchi K, Haga H, Toi M, Ogawa S. Nature. 2023 Aug;620(7974):607-614.	
＜研究論文例＞ DOCK2 is involved in the host genetics and biology of severe COVID-19. Namkoong H,(480名), Miyano S, Ogawa S, Kanai T, Fukunaga K, Okada Y. Nature. 2022 Sep;609(7928):754-760.	
＜研究論文例＞ Global gene network exploration based on explainable artificial intelligence approach. Park H, Maruhashi K, Yamaguchi R, Imoto S, Miyano S. PLoS One. 2020 Nov 6;15(11):e0241508.	