

倫理的法の社会的課題研究事業 事前評価委員名簿

(○ : 委員長)

位田 隆一	(一社) 国立大学協会・専務理事
生命倫理	
<研究論文例>	Looking back: three key lessons from 20 years of shaping Japanese genome research regulations · Jusaku Minari, M. Yokono, K. Takashima, M. Kokado, <u>Ryuichi Ida</u> , Y. Hishiyama · Journal of Human Genetics (2021) 66:1039-1041
<著作例>	「生命倫理と医療倫理 第4版」(共著)(第1章生命倫理の今日的課題) (伏木信次他編) 金芳堂 (2020)
<研究論文例>	Development of Precision Medicine and Sustainable Biobank—Through Experiences of Japanese Biobanks-, <u>IDA, R.</u> , 2019 Symposium of Taiwan Society for Biopreservation and Biobanking :Toward a Sustainable Taiwan Biobank & Ethical Governance Framework, 2019

○ 斎藤 加代子	東京女子医科大学ゲノム診療科
遺伝子医学、ゲノム医療	
<研究論文例>	Ito M, Yamauchi A, Urano M, Kato T, Matsuo M, Nakashima K, <u>Saito K.</u> Epidemiological investigation of spinal muscular atrophy in Japan. Brain Dev. 2022;44:2-16.
<著作例>	脊髄性筋萎縮症（SMA）診療の手引き編集委員会（編）（代表： <u>斎藤加代子</u> ）. 脊髄性筋萎縮症（SMA）診療の手引き. メディカルレビュー社, 東京, 2022
<学術的発表例>	<u>Saito K</u> , Nagao R, Tsuchida K, Teshima R, Kawase K. Real-world assessment of onasemnogene abeparvovec treatment in patients with spinal muscular atrophy: insight from RESTORE post-marketing surveillance in Japan. 27 th International Hybrid Annual Congress of the World Muscle Society, Halifax, Canada, October 12, 2022

堀 浩一	人間文化研究機構・理事
人工知能	
<p>＜研究論文例＞</p> <p>Kaira Sekiguchi and <u>Koichi Hori</u>: Organic and dynamic tool for use with knowledge base of AI ethics for promoting engineers' practice of ethical AI design', AI & Society, Springer (2018). https://doi.org/10.1007/s00146-018-0867-z</p>	
<p>＜著作例＞</p> <p>堀 浩一：人工知能として認識されない人工知能の埋め込まれる社会に向けて、情報通信政策研究、Vol. 2, No. 1, 2018.</p>	

松尾 陽	名古屋大学大学院法学研究科教授
法哲学	
<p>＜研究論文例＞</p> <p>「IoT・AI における監視の拡散とその制御についての一考察」<u>松尾陽</u>・『日本ロボット学会誌』41巻1号14頁—17頁（2023年）</p>	
<p>＜研究論文例＞</p> <p>「コロナ禍における多様な規制手法とその制御のあり方——ポスト／ウィズ・コロナの法哲学」<u>松尾陽</u>『学術の動向』312号40—46頁（2022年）</p>	
<p>＜研究論文例＞</p> <p>「AI ガバナンスの法哲学——専門知を活用するガバナンス」<u>松尾陽</u>『法律時報』91巻4号34-39頁（2019年）</p>	

宮野 悟	東京医科歯科大学M&Dデータ科学センター特任教授
バイオインフォマティクス	
<研究論文例>	
<p>Evolutionary histories of breast cancer and related clones.</p> <p>Nishimura T, Kakiuchi N, Yoshida K, Sakurai T, Kataoka TR, Kondoh E, Chigusa Y, Kawai M, Sawada M, Inoue T, Takeuchi Y, Maeda H, Baba S, Shiozawa Y, Saiki R, Nakagawa MM, Nannya Y, Ochi Y, Hirano T, Nakagawa T, Inagaki-Kawata Y, Aoki K, Hirata M, Nanki K, Matano M, Saito M, Suzuki E, Takada M, Kawashima M, Kawaguchi K, Chiba K, Shiraishi Y, Takita J, <u>Miyano S</u>, Mandai M, Sato T, Takeuchi K, Haga H, Toi M, Ogawa S. <i>Nature</i>. 2023 Aug;620(7974):607–614.</p>	
<研究論文例>	
<p>DOCK2 is involved in the host genetics and biology of severe COVID-19. Namkoong H, (480名), <u>Miyano S</u>, Ogawa S, Kanai T, Fukunaga K, Okada Y. <i>Nature</i>. 2022 Sep;609(7928):754–760.</p>	
<研究論文例>	
<p>Global gene network exploration based on explainable artificial intelligence approach. Park H, Maruhashi K, Yamaguchi R, Imoto S, <u>Miyano S</u>. <i>PLoS One</i>. 2020 Nov 6;15(11):e0241508.</p>	