

新型コロナウイルス感染症（変異株）への対応



厚生労働省 新型コロナウイルス感染症対策推進本部

Ministry of Health, Labour and Welfare

新型コロナウイルス感染症（変異株）のまとめ

一般的にウイルスは増殖や感染を繰り返す中で少しずつ変異していくものであり、新型コロナウイルスも約2週間で一箇所程度の速度で変異していると考えられている。

国立感染症研究所は、こうした変異をリスク分析し、その評価に応じて、変異株を「懸念される変異株（VOC）」と「注目すべき変異株（VOI）」に分類※¹している。

1. 懸念される変異株（Variant of Concern : VOC）

主に感染性や重篤度が増す・ワクチン効果を弱めるなど性質が変化した可能性のある株

- B.1.1.7系統の変異株（アルファ株）※²
- B.1.351系統の変異株（ベータ株）
- P.1系統の変異株（ガンマ株）
- B.1.617.2系統の変異株（デルタ株）

2. 注目すべき変異株（Variant of Interest : VOI）

主に感染性や重篤度・ワクチン効果などに影響を与える可能性が示唆される株

- B.1.617.1系統の変異株（カッパ株）

※¹ 国立感染症研究所では、WHOと同様に、変異株をVOCとVOIに分類している。国内での検出状況等を加味することから、分類は各国によって異なる。※² PANGO系統(pango lineage)は、新型コロナウイルスに関して用いられる国際的な系統分類命名法であり、変異株の呼称として広く用いられている。括弧内の変異株名は、WHOラベルである。

新型コロナウイルスの懸念される変異株（VOC）

PANGO系統 (WHOラベル)	最初の 検出	主な 変異	感染性 (従来株比)	重篤度 (従来株比)	再感染やワクチン 効果 (従来株比)
B.1.1.7系統の変異株 (アルファ株)	2020年9月 英国	N501Y	1.32倍と推定※ (5～7割程度 高い可能性)	1.4倍 (40-64歳 1.66倍) と推定※ (入院・死亡リスクが高い 可能性)	効果に影響がある 証拠なし
B.1.351 系統の変異株 (ベータ株)	2020年5月 南アフリカ	N501Y E484K	5割程度高い 可能性	入院時死亡リスク が高い可能性	効果を弱める 可能性
P.1系統の変異株 (ガンマ株)	2020年11月 ブラジル	N501Y E484K	1.4-2.2倍高い 可能性	入院リスクが高い 可能性	効果を弱める可能性 従来株感染者の再感染 事例の報告あり
B.1.617.2系統 の変異株 (デルタ株)	2020年10月 インド	L452R	高い可能性 (アルファ株の1.5倍 高い可能性)	入院リスクが高い 可能性	ワクチンと抗体医薬の 効果を弱める可能性

※感染性・重篤度は、国立感染症研究所等による日本国内症例の疫学的分析結果に基づくもの。ただし、重篤度について、本結果のみから変異株の重症度について結論づけることは困難。
 ※PANGO系統(PANGO Lineage)は、新型コロナウイルスに関して用いられる国際的な系統分類命名法であり、変異株の呼称として広く用いられている。括弧内の変異株名は、WHOラベルである。

新型コロナウイルスの注目すべき変異株（VOI）

PANGO系統 (WHOラベル)	最初の 検出	主な 変異	概要
B.1.617.1系統の変異株 (カッパ株)	2020年10月 インド	L452R E484Q	<ul style="list-style-type: none">感染性の増加と治療薬（抗体医薬）の効果への影響が示唆されている引き続き、ゲノムサーベイランスを通じて実態を把握

※件数は暫定値であり、その時点において最新のpango lineageを基に計上しているものであるため、再集計した際に数値が変動する可能性がある。

※PANGO系統(pango lineage)は、新型コロナウイルスに関して用いられる国際的な系統分類命名法であり、変異株の呼称として広く用いられている。括弧内の変異株名は、WHOラベルである。

国内におけるSARS-CoV-2のゲノム解析

累積:60,245 (8/2時点) (+942) 括弧内は7/26時点比

都道府県別・空港等検疫の累積：北海道2,150、青森県98、岩手県379、宮城県1,557、秋田県200、山形県213、福島県1,210、茨城県1,772、栃木県1,318、群馬県752、埼玉県3,259、千葉県2,778、東京都847、神奈川県2,447、新潟県861、富山県528、石川県1,108、福井県683、山梨県329、長野県1,019、岐阜県349、静岡県1,061、愛知県657、三重県1,181、滋賀県730、京都府1,451、大阪府2,198、兵庫県6,854、奈良県886、和歌山県1,275、鳥取県284、島根県344、岡山県631、広島県1,647、山口県1,458、徳島県193、香川県472、愛媛県302、高知県383、福岡県6,275、佐賀県529、長崎県613、熊本県1,031、大分県965、宮崎県309、鹿児島県1,230、沖縄県1,824、空港等検疫1,605

国立感染症研究所等における全ゲノム解析により確認されたVOCs, VOIs

(系統のみを特定できたものも含む) (8/2時点) 括弧内は7/26時点比

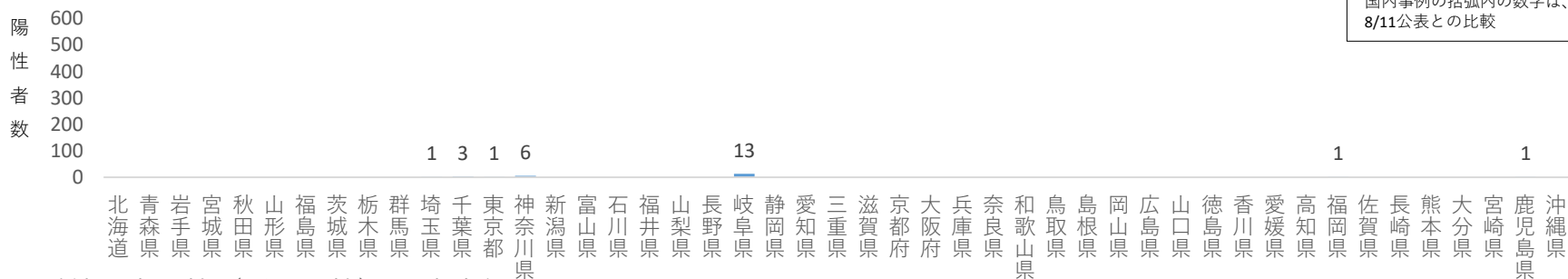
B.1.1.7系統の変異株 (アルファ株)	: 国内36,408例 (+2,447例)、検疫329例 (+1例)
B.1.351系統の変異株 (ベータ株)	: 国内22例 (+0例)、検疫91例 (+1例)
P.1系統の変異株 (ガンマ株)	: 国内94例 (+0例)、検疫26例 (+2例)
B.1.617.2系統の変異株 (デルタ株)	: 国内2,533例 (+1,359例)、検疫470例 (+61例)
B.1.617.1系統の変異株 (カッパ株)	: 国内7例 (+0例)、検疫19例 (+0例)

※件数は暫定値であり、その時点において最新のpango lineageを基に計上しているものであるため、再集計した際に数値が変動する可能性がある。

※デルタ株にはB.1.617.2系統と同等の変異を有する系統 (AY.1等) が含まれる。

都道府県別の懸念される変異株の事例数(ゲノム解析) (HER-SYS)

B.1.351系統の変異株 (ベータ株) 国内事例 n=26 (+0) ※1

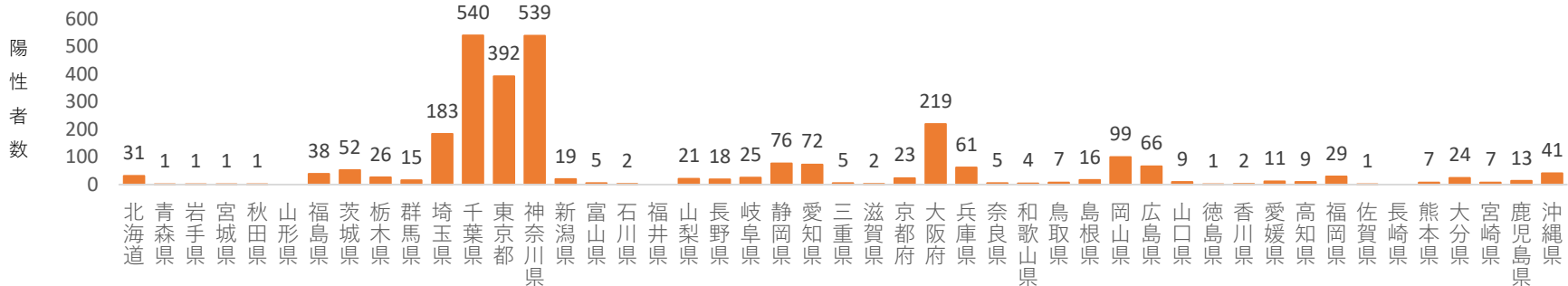


2021/8/16時点、
国内事例の括弧内の数字は、
8/11公表との比較

P.1系統の変異株 (ガンマ株) 国内事例 n=86 (+0) ※1



B.1.617.2系統の変異株 (デルタ株) 国内事例 n=2,719 (+802) ※1, 2



都道府県名

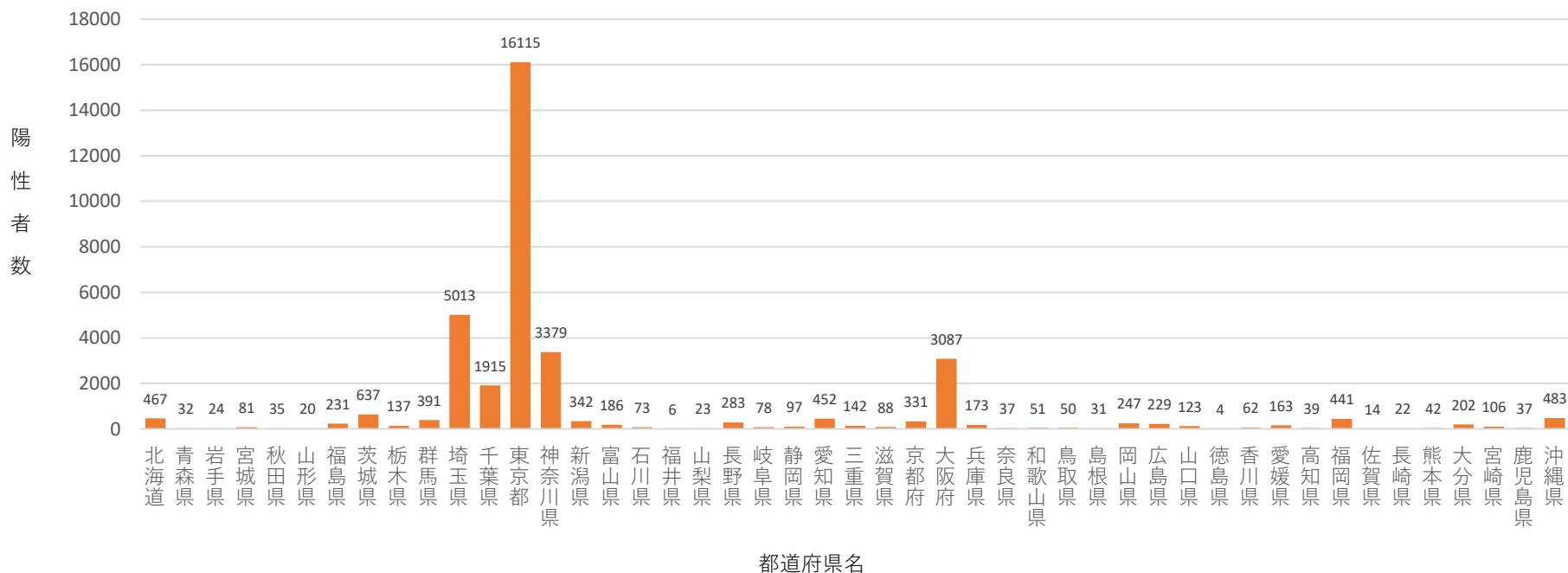
L452R変異株PCR検査陽性者数 36,221件 (※2)

※1. 国内事例は、8月16日までにHER-SYSで把握した累計を計上しており、自治体で公表された数字とは異なる可能性がある。また、ゲノム解析の国内事例数には、自治体等（地方衛生研究所・大学等）でゲノム確定した数が含まれる。公表後にHER-SYS上で事例削除・変更等された事例があることから、先週との事例数の差分については、負の数となっている場合がある。

※2. L452R変異株PCR検査では、L452R変異があるイブシロン株、C.36系統など他の株を検出する可能性があり、地域の感染状況の評価には注意が必要。

都道府県別のL452R変異株PCR陽性者数 (HER-SYS)

2021/8/16時点※1, 2



※ 1 国内事例は、8月16日までにHER-SYSで把握した累計を計上しており、自治体で公表された数字とは異なる可能性がある。

※ 2 L452R変異株PCR検査では、L452R変異があるイプシロン株、C.36系統など他の株を検出する可能性があり、地域の感染状況の評価には注意が必要。

L452R変異株スクリーニング検査の実施率・陽性率（機械的な試算）速報値

8/2- 8/8	新規 陽性者数	合計（①+②）		①自治体				②民間検査機関			
		実施率	陽性率	実施 件数	陽性 者数	実施率	陽性率	実施 件数	陽性 者数	実施率	陽性率
埼玉県	8,284	49 %	86 %	198	170	2%	86%	3,834	3,291	46%	86%
千葉県	6,470	38 %	84 %	551	460	9%	83%	1,894	1,597	29%	84%
東京都	28,259	54 %	88 %	247	169	1%	68%	15,036	13,267	53%	88%
神奈川県	12,148	37 %	83 %	942	771	8%	82%	3,603	3,015	30%	84%
大阪府	7,433	45 %	54 %	2,028	1,064	27%	52%	1,304	739	18%	57%
沖縄県	3,613	24 %	83 %	516	417	14%	81%	358	306	10%	85%
全国	95,668	45 %	79 %	12,656	8,656	13%	68%	30,421	25,349	32%	83%

※1 各報告日時点の集計値を記載しているため、各自治体のホームページ等で公表されている数値と異なる場合がある。※2 速報値のため、今後、精査が必要な数字である。※3 一部の都道府県ではN501Y変異株PCR検査が陰性だった検体に対して、L452R変異株PCR検査を実施。※4 L452R変異があるイブシロン株、C.36系統など他の株を検出する可能性や一部検体を対象に実施したものであり、地域の感染状況の評価には注意が必要。

L452R変異株スクリーニング検査の実施率・陽性率（機械的な試算）時系列

	7/12－7/18		7/19－7/25		7/26－8/1		8/2－8/8	
	実施率	陽性率	実施率	陽性率	実施率	陽性率	実施率	陽性率
埼玉県	40%	38%	34%	51%	39%	76%	49%	86%
千葉県	34%	46%	35%	59%	36%	76%	38%	84%
東京都	49%	43%	41%	54%	47%	79%	54%	88%
神奈川県	42%	30%	33%	43%	38%	69%	37%	83%
大阪府	28%	10%	26%	15%	33%	35%	45%	54%
沖縄県	32%	23%	22%	40%	15%	62%	24%	83%
全国	45%	33%	37%	44%	41%	67%	45%	79%

L452R変異株スクリーニング検査の実施状況 (8/2-8/8) 速報値 2021/8/13時点

	都道府県	新規陽性者数	実施件数 ①	陽性者数 ②	陽性率% ②/①
1	北海道	2,074	1,534	862	56
2	青森県	160	44	42	95
3	岩手県	155	25	17	68
4	宮城県	616	284	230	81
5	秋田県	66	56	44	79
6	山形県	206	97	69	71
7	福島県	649	503	368	73
8	茨城県	1,682	925	633	68
9	栃木県	927	507	403	79
10	群馬県	969	381	331	87
11	埼玉県	8,284	4,032	3,461	86
12	千葉県	6,470	2,445	2,057	84
13	東京都	28,259	15,283	13,436	88
14	神奈川県	12,148	4,545	3,786	83
15	新潟県	485	224	184	82
16	富山県	274	177	110	62
17	石川県	547	296	197	67
18	福井県	220	164	127	77
19	山梨県	405	151	123	81
20	長野県	355	167	139	83
21	岐阜県	331	51	32	63
22	静岡県	1,280	586	464	79
23	愛知県	2,366	762	502	66
24	三重県	483	169	138	82

	都道府県	新規陽性者数	実施件数 ①	陽性者数 ②	陽性率% ②/①
25	滋賀県	611	158	112	71
26	京都府	1,754	700	490	70
27	大阪府	7,433	3,332	1,803	54
28	兵庫県	2,915	1,010	679	67
29	奈良県	576	198	114	58
30	和歌山県	229	258	95	37
31	鳥取県	189	175	105	60
32	島根県	64	66	33	50
33	岡山県	656	317	237	75
34	広島県	642	190	106	56
35	山口県	138	110	82	75
36	徳島県	64	43	14	33
37	香川県	267	122	37	30
38	愛媛県	237	103	82	80
39	高知県	87	66	36	55
40	福岡県	4,622	1,118	846	76
41	佐賀県	222	85	71	84
42	長崎県	272	142	103	73
43	熊本県	763	200	169	85
44	大分県	245	167	132	79
45	宮崎県	236	75	62	83
46	鹿児島県	422	160	119	74
47	沖縄県	3,613	874	723	83
	全国	95,668	43,077	34,005	79%

※1 各報告日時点の集計値を記載しているため、各自治体のホームページ等で公表されている数値と異なる場合がある。※2 速報値のため、今後、精査が必要な数字である。※3 一部の都道府県ではN501Y変異株PCR検査が陰性だった検体に対して、L452R変異株PCR検査を実施。※4 L452R変異があるイプシロン株、C.36系統など他の株を検出する可能性や一部検体を対象に実施したものであり、地域の感染状況の評価には注意が必要。

今後の変異株スクリーニングとゲノムサーベイランス体制（案）

現状

変異株スクリーニング

- **L452R変異を検出する変異株スクリーニングは、B.1.617.2系統の変異株（デルタ株）の監視体制を強化するために、全国で40%分の検体を目処に実施。**（自治体は地方衛生研究所等において、国立感染症研究所（感染研）は民間検査機関7社と契約し実施）
- アルファ株から**デルタ株に置き換わりが進み**、現在L452Rのしめる割合は全国で79%、多くの都道府県でも80%超（8/2-8/8）。他の地域でも上昇傾向。
- 専門家からは、置き換わった地域では、L452Rスクリーニングの必要性は低いとの指摘（8/4 ADB）

ゲノムサーベイランス

- **地域の偏り無く5-10%程度のゲノム解析を実施し、新たな変異株の発生・変異株の発生動向を監視。**感染研が、毎週、解析結果を公表。
- 感染研から自治体への**機器供与、全ゲノム解析の技術移転による自治体による全ゲノム解析体制の整備を推進中。**

今後の方針

変異株スクリーニング

- 感染拡大地域（ステージ3相当、15人/10万人）であって、L452Rの陽性割合が高い自治体（8割）については、**40%分のL452Rスクリーニングを必須としない。**
- しかし、デルタ株以外の新たな懸念される変異株が発生し、変異株スクリーニングが必要になった場合に備え、新規感染者分の**40%程度の検体を早期にスクリーニングできる体制を維持。**
- 自治体主体のサーベイランス体制を目指し、順次、自治体が民間検査機関との契約を進める。感染研は、全国の一定割合のモニタリングを行うために、一部の民間検査機関との契約を継続。

ゲノムサーベイランス

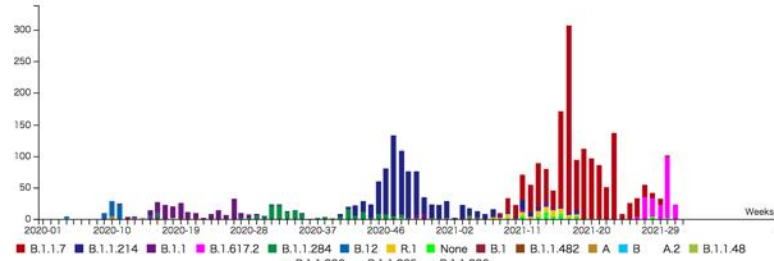
- **地域の偏り無く5-10%程度のゲノム解析を実施し、新たな変異株の発生・変異株の発生動向を監視。**
- 自治体主体のゲノムサーベイランスを目指し、感染研から自治体への機器供与、技術移転をさらに進め、自治体の体制強化を目指す。自治体と民間検査機関間の契約に順次、移行。
- 感染研は、全国のモニタリングを行うために、一部の民間検査機関との契約を継続。また、毎週、解析結果の公表を行う。

変異株スクリーニング検査の実施率・陽性率（機械的な試算）速報値
2021年8月13日時点

	7/12-7/18											7/19-7/25											7/26-8/1											8/2-8/8																		
	① 新規感染 者数	② 変異株 PCR検査 実施件数 (⑦+④)	⑦ 自治体実 施件数	④ 民間検査 機関実施 件数	⑦/① 自治体実 施率	④/① 民間検査 機関実施 率	③ 変異株 PCR検査 陽性者(② +③)	⑧ 自治体陽 性者	⑤ 民間検査 機関陽性 者	⑧/⑦ 自治体陽 性率	⑤/④ 民間検査 機関陽性 率	②/① 変異株 PCR検査 実施率	③/② 変異株 PCR検査 陽性率	① 新規感染 者数	② 変異株 PCR検査 実施件数 (⑦+④)	⑦ 自治体実 施件数	④ 民間検査 機関実施 件数	⑦/① 自治体実 施率	④/① 民間検査 機関実施 率	③ 変異株 PCR検査 陽性者(② +③)	⑧ 自治体陽 性者	⑤ 民間検査 機関陽性 者	⑧/⑦ 自治体陽 性率	⑤/④ 民間検査 機関陽性 率	②/① 変異株 PCR検査 実施率	③/② 変異株 PCR検査 陽性率	① 新規感染 者数	② 変異株 PCR検査 実施件数 (⑦+④)	⑦ 自治体実 施件数	④ 民間検査 機関実施 件数	⑦/① 自治体実 施率	④/① 民間検査 機関実施 率	③ 変異株 PCR検査 陽性者(② +③)	⑧ 自治体陽 性者	⑤ 民間検査 機関陽性 者	⑧/⑦ 自治体陽 性率	⑤/④ 民間検査 機関陽性 率	②/① 変異株 PCR検査 実施率	③/② 変異株 PCR検査 陽性率	① 新規感染 者数	② 変異株 PCR検査 実施件数 (⑦+④)	⑦ 自治体実 施件数	④ 民間検査 機関実施 件数	⑦/① 自治体実 施率	④/① 民間検査 機関実施 率	③ 変異株 PCR検査 陽性者(② +③)	⑧ 自治体陽 性者	⑤ 民間検査 機関陽性 者	⑧/⑦ 自治体陽 性率	⑤/④ 民間検査 機関陽性 率	②/① 変異株 PCR検査 実施率	③/② 変異株 PCR検査 陽性率
北海道	558	414	258	156	46	28	141	88	53	34	34	74	34	742	504	250	254	34	34	177	95	82	38	32	68	35	1,563	1,067	615	452	39	29	511	281	230	46	51	68	48	2,074	1,534	858	676	41	33	862	501	361	58	53	74	56
青森県	40	12	9	3	23	8	0	0	0	0	30	0	37	18	16	2	43	5	0	0	0	0	0	0	49	0	96	16	14	2	15	2	6	4	2	29	100	17	38	160	44	26	18	16	11	42	26	16	100	89	28	95
岩手県	67	24	23	1	34	1	14	14	0	61	0	36	58	57	48	47	1	82	2	17	17	0	36	0	84	35	99	19	17	2	17	2	16	15	1	88	50	19	84	155	25	22	3	14	2	17	15	2	68	67	16	68
宮城県	230	58	47	11	20	5	8	6	2	13	18	25	14	126	74	65	9	52	7	18	17	1	26	11	59	24	269	158	148	10	55	4	101	98	3	66	30	59	64	616	284	254	30	41	5	230	207	23	81	77	46	81
秋田県	35	32	28	4	80	11	2	2	0	7	0	91	6	20	17	17	0	85	0	0	0	0	0	0	85	0	27	22	22	0	81	0	6	6	0	27	-	81	27	66	56	54	2	82	3	44	43	1	80	50	85	79
山形県	23	19	17	2	74	9	0	0	0	0	83	0	8	11	11	0	138	0	1	1	0	9	-	138	9	61	25	25	0	41	0	16	16	0	64	-	41	64	206	97	76	21	37	10	69	51	18	67	86	47	71	
福島県	97	88	73	15	75	15	7	4	3	5	20	91	8	140	92	85	7	61	5	18	17	1	20	14	66	20	506	235	195	40	39	8	159	138	21	71	53	46	68	649	503	428	75	66	12	368	309	59	72	79	78	73
茨城県	280	183	105	78	38	28	57	35	22	33	28	65	31	408	178	109	69	27	17	84	53	31	49	45	44	47	1,138	352	198	154	17	14	214	122	92	62	60	31	61	1,682	925	553	372	33	22	633	366	267	66	72	55	68
栃木県	155	94	83	11	54	7	12	12	0	14	0	61	13	232	136	113	23	49	10	56	49	7	43	30	59	41	758	361	276	85	36	11	239	175	64	63	75	48	66	927	507	334	173	36	19	403	252	151	75	87	55	79
群馬県	55	17	8	9	15	16	5	2	3	25	33	31	29	156	26	13	13	8	8	14	6	8	46	62	17	54	597	157	56	101	9	17	128	42	86	75	85	26	82	969	381	129	252	13	26	331	107	224	83	89	39	87
埼玉県	1,754	698	65	633	4	36	266	31	235	48	37	40	38	2,599	884	95	789	4	30	453	41	412	43	52	34	51	5,565	2,195	130	2,065	2	37	1,664	85	1,579	65	76	39	76	8,284	4,032	198	3,834	2	46	3,461	170	3,291	86	86	49	86
千葉県	1,530	514	199	315	13	21	234	91	143	46	45	34	46	1,992	692	295	397	15	20	410	189	221	64	56	35	59	4,379	1,556	472	1,084	11	25	1,183	358	825	76	76	36	76	6,470	2,445	551	1,894	9	29	2,057	460	1,597	83	84	38	84
東京都	7,478	3,682	106	3,576	1	48	1,581	33	1,548	31	43	49	43	10,175	4,183	116	4,067	1	40	2,279	59	2,220	51	55	41	54	21,735	10,229	183	10,046	1	46	8,039	113	7,926	62	79	47	79	28,259	15,283	247	15,036	1	53	13,436	169	13,267	68	88	54	88
神奈川県	2,797	1,173	332	841	12	30	357	112	245	34	29	42	30	3,727	1,216	392	824	11	22	521	183	338	47	41	33	43	7,768	2,972	771	2,201	10	28	2,049	540	1,509	70	69	38	69	12,148	4,545	942	3,603	8	30	3,786	771	3,015	82	84	37	83
新潟県	89	57	57	0	64	0	12	12	0	21	-	64	21	171	117	116	1	68	1	35	35	0	30	0	68	30	318	110	106	4	33	1	72	70	2	66	50	35	65	485	224	209	15	43	3	184	172	12	82	80	46	82
富山県	27	13	13	0	48	0	5	5	0	38	-	48	38	71	20	20	0	28	0	4	4	0	20	-	28	20	152	195	194	1	128	1	60	60	0	31	0	128	31	274	177	172	5	63	2	110	106	4	62	80	65	62
石川県	178	48	45	3	25	2	1	1	0	2	0	27	2	330	22	12	10	4	3	2	0	2	0	20	7	9	645	263	243	20	38	3	119	108	11	44	55	41	45	547	296	280	16	51	3	197	182	15	65	94	54	67
福井県	32	72	61	11	191	34	1	1	0	2	0	225	1	51	13	6	7	12	14	0	0	0	0	0	25	0	159	114	68	46	43	29	28	19	9	28	20	72	25	220	164	72	92	33	42	127	45	82	63	89	75	77
山梨県	27	10	10	0	37	0	1	1	0	10	-	37	10	81	13	13	0	16	0	6	6	0	46	-	16	46	189	57	49	8	26	4	25	24	1	49	13	30	44	405	151	129	22	32	5	123	105	18	81	82	37	81
長野県	26	12	10	2	38	8	4	4	0	40	0	46	33	51	30	26	4	51	8	16	14	2	54	50	59	53	196	56	51	5	26	3	44	41	3	80	60	29	79	355	167	142	25	40	7	139	116	23	82	92	47	83
岐阜県	69	28	19	9	28	13	1	1	0	5	0	41	4	74	21	17	4	23	5	3	3	0	18	0	28	14	165	35	25	10	15	6	18	13	5	52	50	21	51	331	51	35	16	11	5	32	23	9	66	56	15	63
静岡県	237	163	127	36	54	15	32	22	10	17	28	69	20	378	111	86	25	23	7	36	23	13	27	52	29	32	769	464	399	65	52	8	216	176	40	44	62	60	47	1,280	586	442	144	35	11	464	350	114	79	79	46	79
愛知県	493	145	57	88	12	18	10	5	5	9	6	29	7	632	199	96	103	15	16	34	16	18	17	17	31	17	1,507	350	108	242	7	16	155	57	98	53	40	23	44	2,366	762	369	393	16	17	502	265	237	72	60	32	66
三重県	121	80	73	7	60	6	11	9	2	12	29	66	14	112	75	63	12	56	11	28	23	5	37	42	67	37	222	114	103	11	46	5	80	72	8	70	73	51	70	483	169	131	38	27	8	138	108	30	82	79	35	82
滋賀県	63	33	0	33	0	52	2	0	2	-	6	52	6	93	24	0	24	0	26	2	0	2	-	8	26	8	287	89	0	89	0	31	38	0	38	-	43	31	43	611	158	0	158	0	26	112	0	112	-	71	26	71
京都府	257	133	77	56	30																																															

北海道

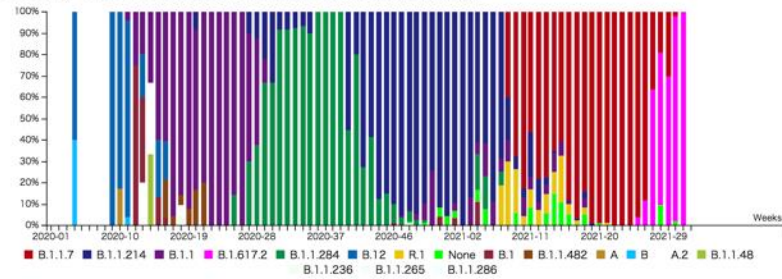
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

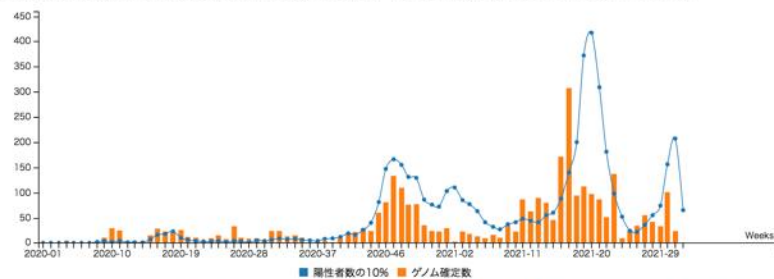
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Hokkaido] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



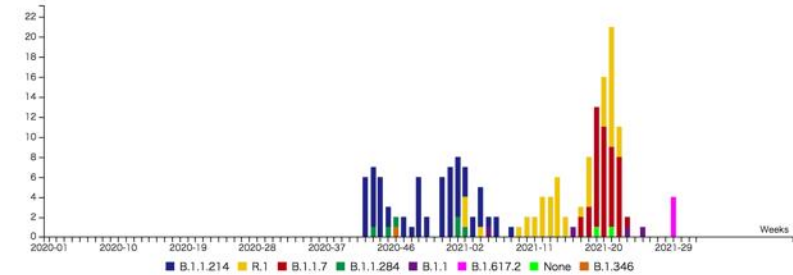
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

青森県

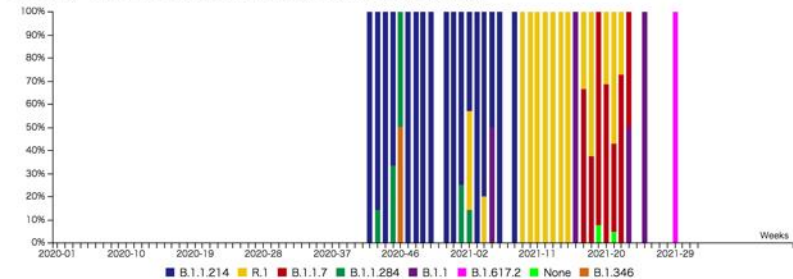
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

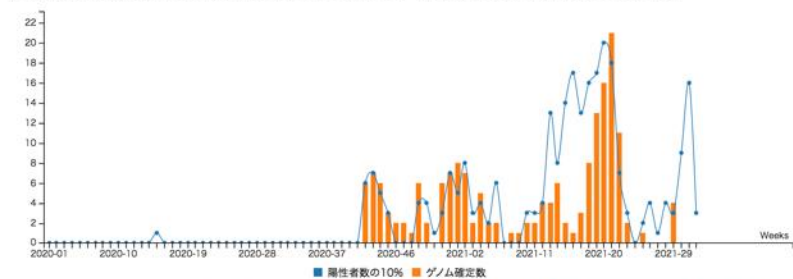
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Aomori] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



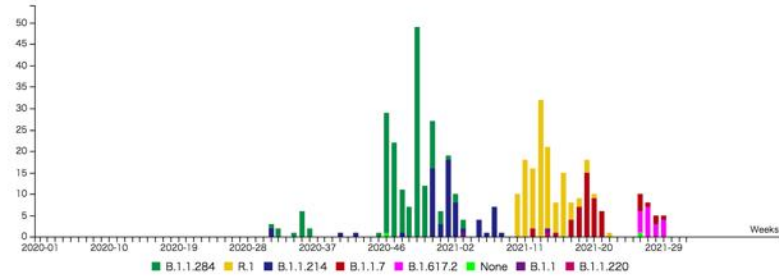
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

岩手県

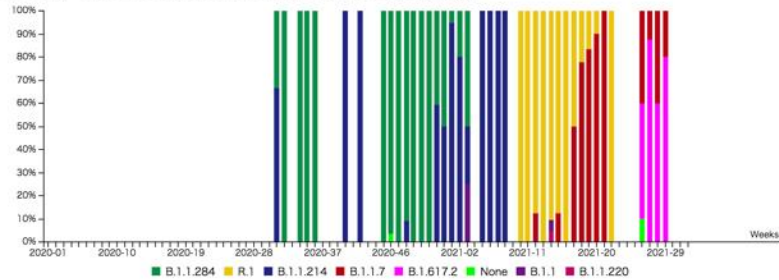
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

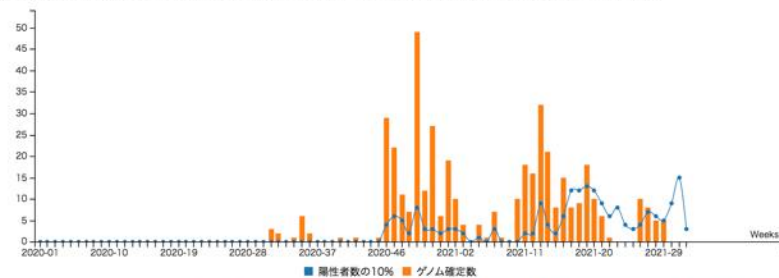
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Iwate] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



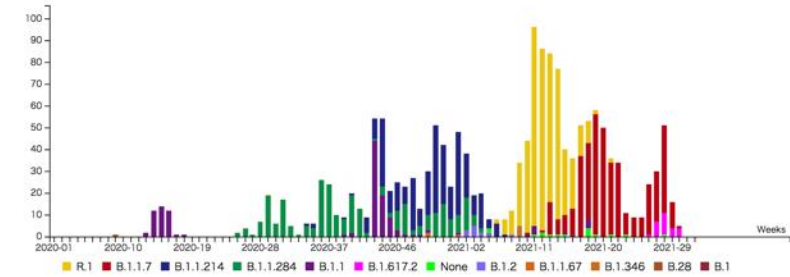
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

宮城県

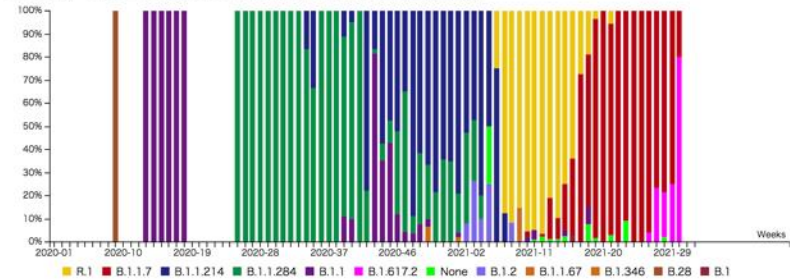
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

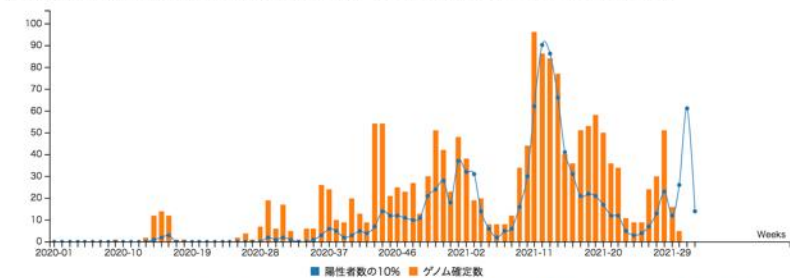
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Miyagi] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



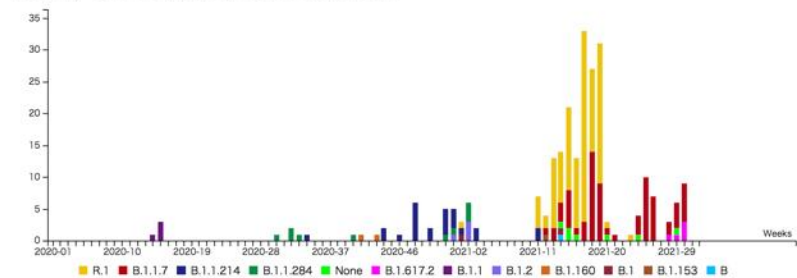
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

秋田県

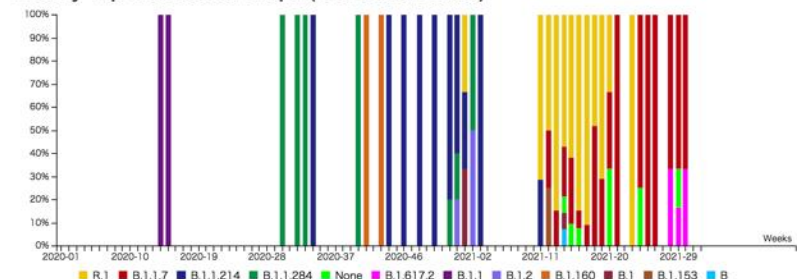
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

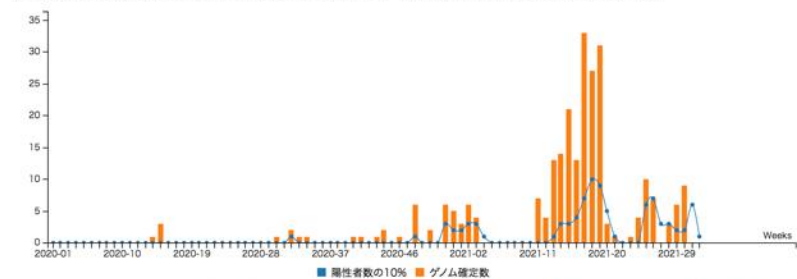
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Akita] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



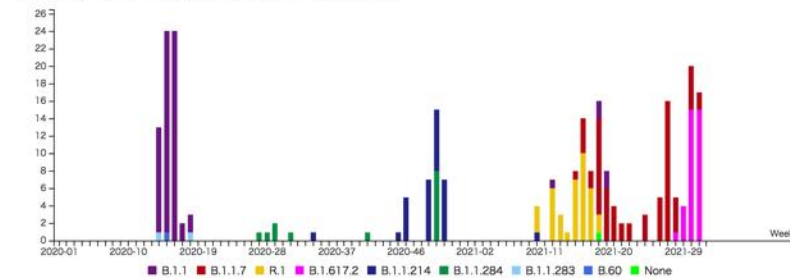
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

山形県

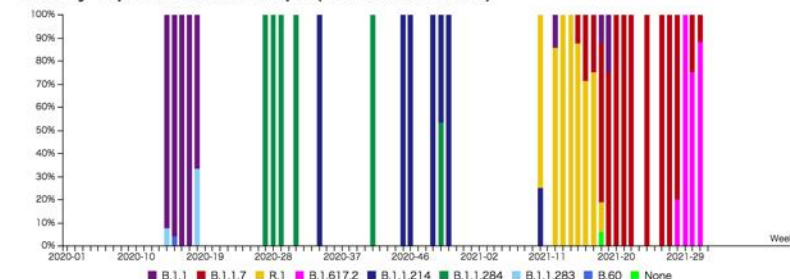
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

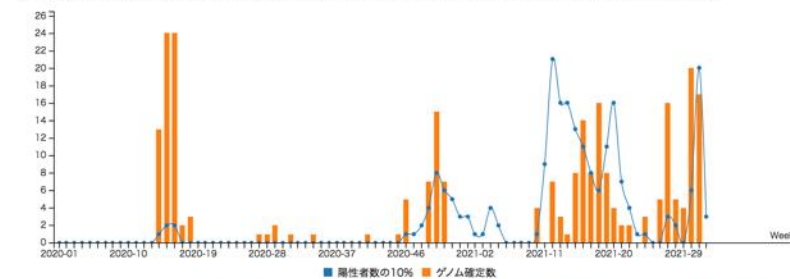
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Yamagata] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



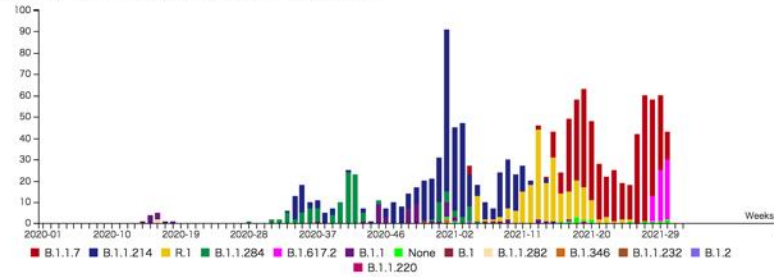
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

福島県

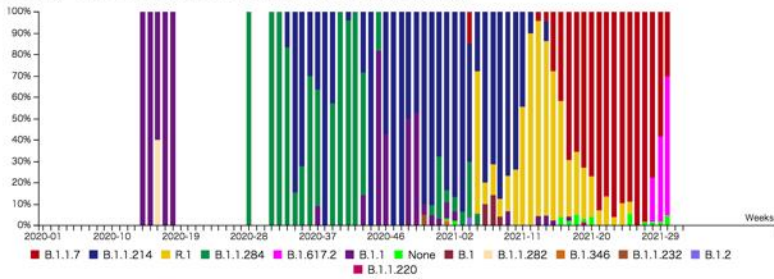
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

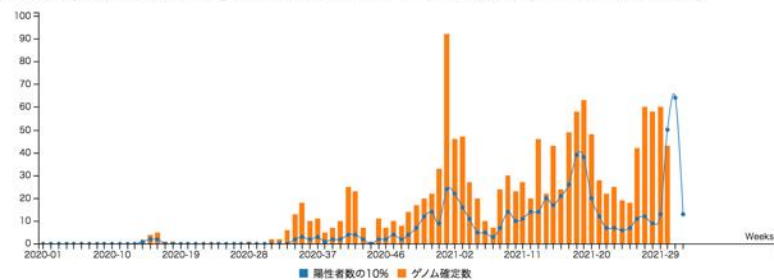
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Fukushima] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



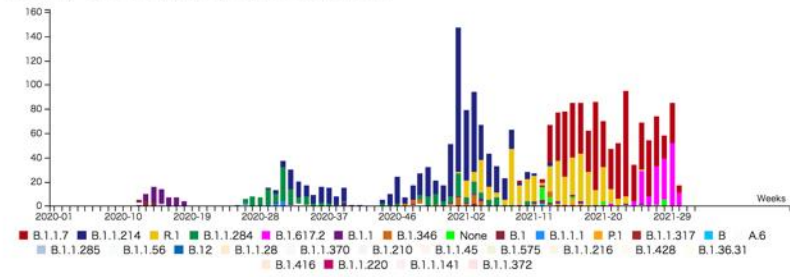
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

茨城県

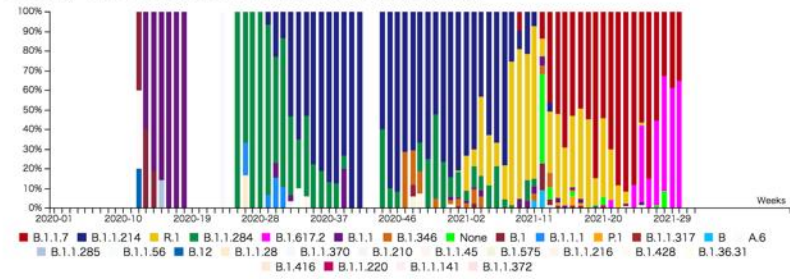
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

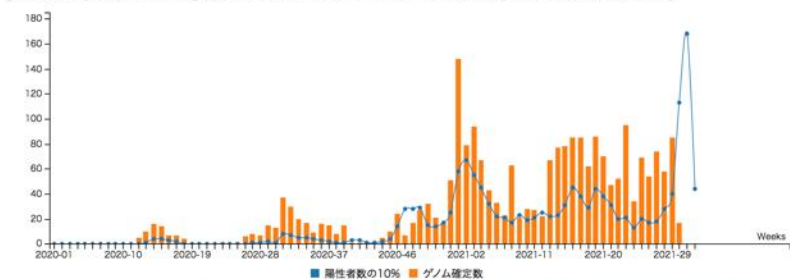
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Ibaraki] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



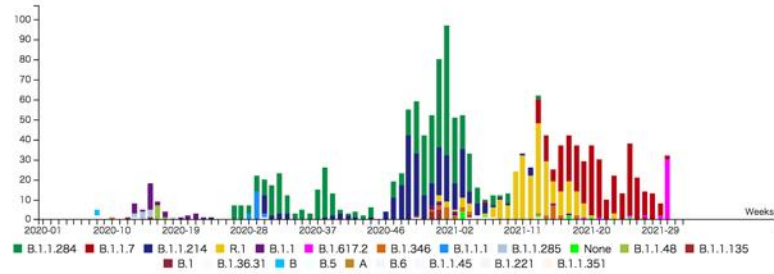
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

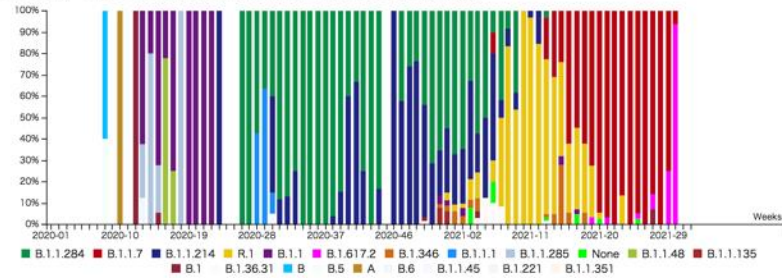
栃木県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



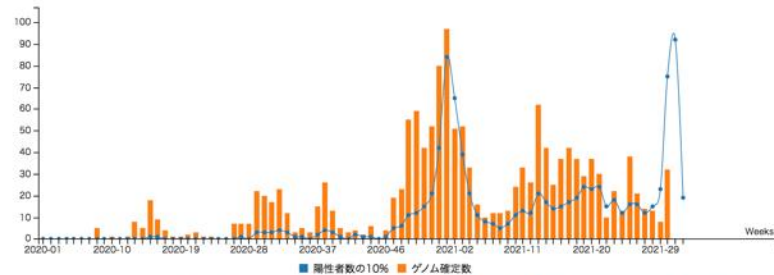
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

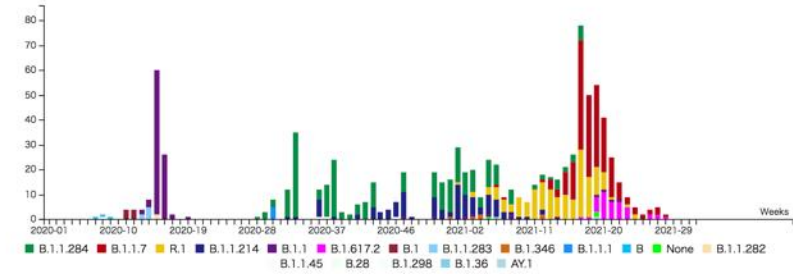
[Asia/Japan/Tochigi] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

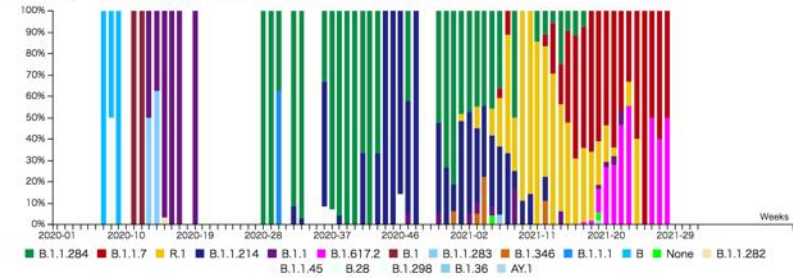
群馬県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



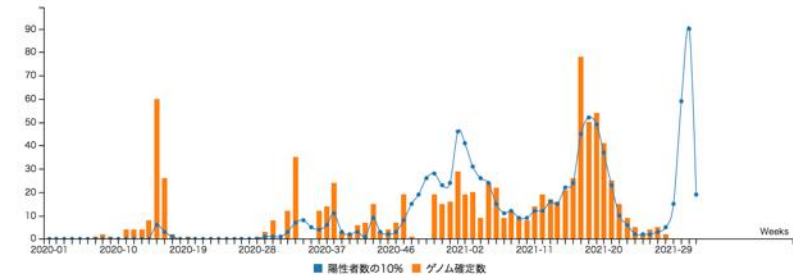
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

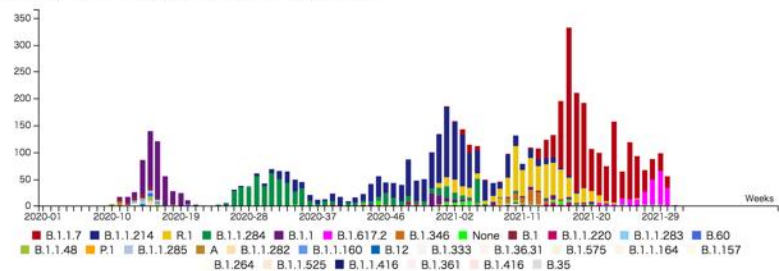
[Asia/Japan/Gunma] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

埼玉県

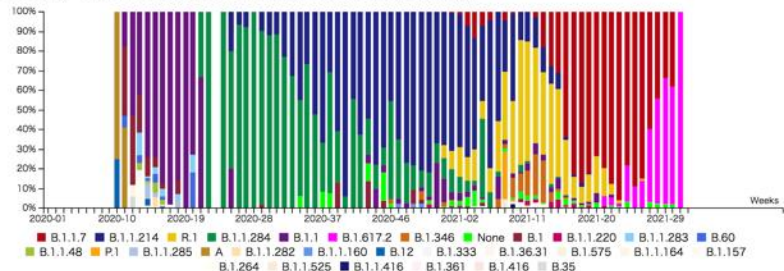
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

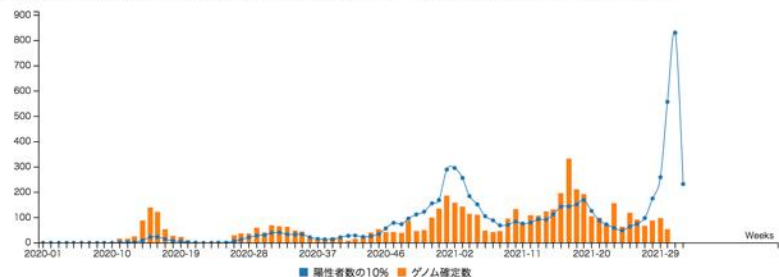
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Saitama] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



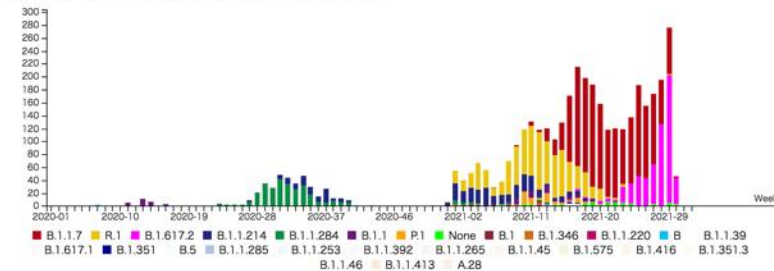
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

千葉県

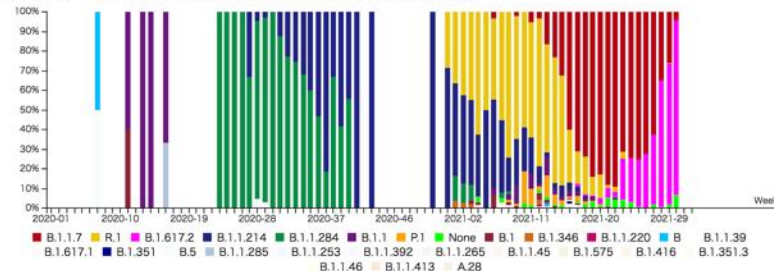
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

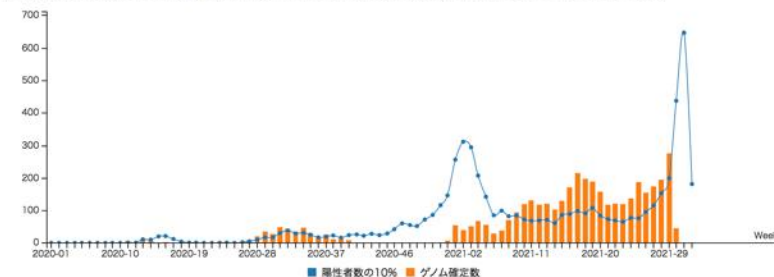
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Chiba] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



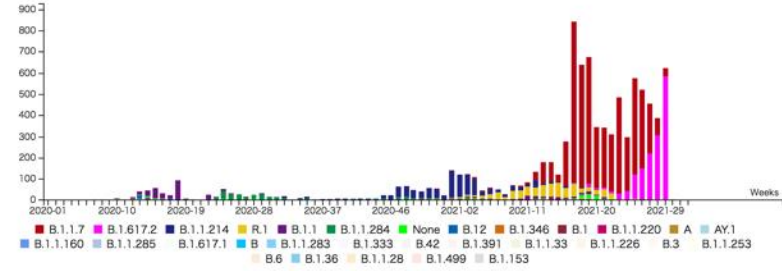
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

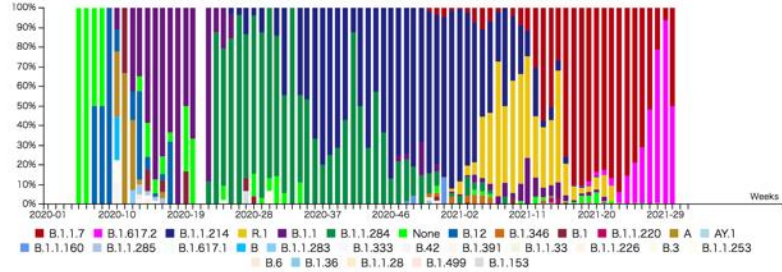
東京都

Weekly Top 30 Graph (count each week)



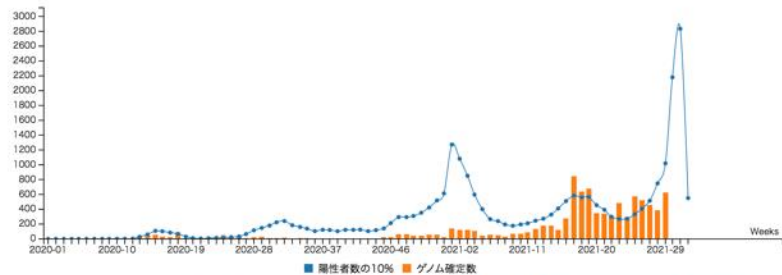
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

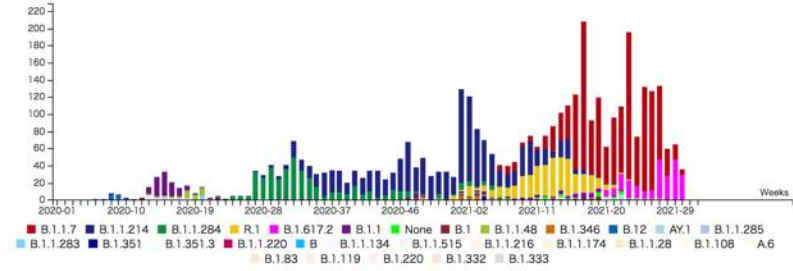
[Asia/Japan/Tokyo] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
 [ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
 (いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

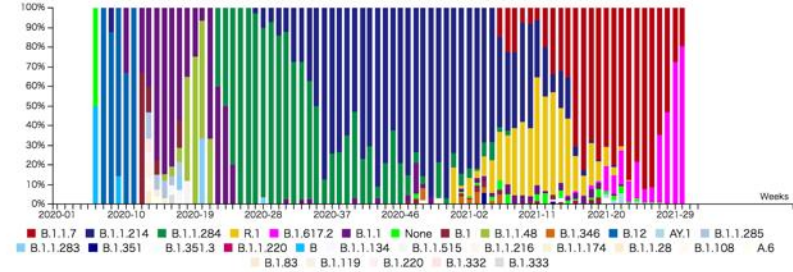
神奈川県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



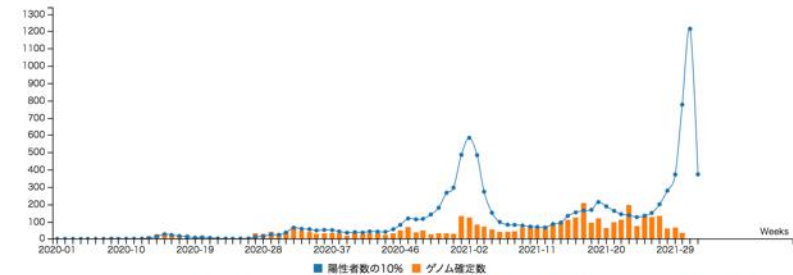
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

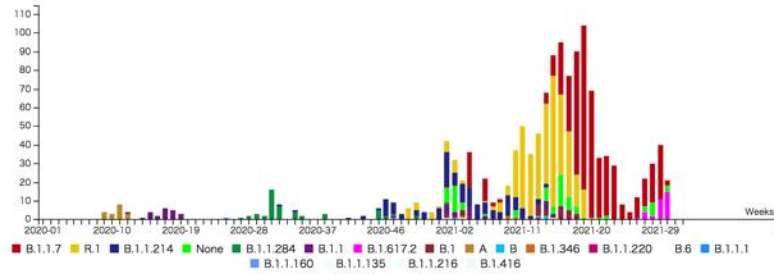
[Asia/Japan/Kanagawa] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
 [ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。
 (いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

新潟県

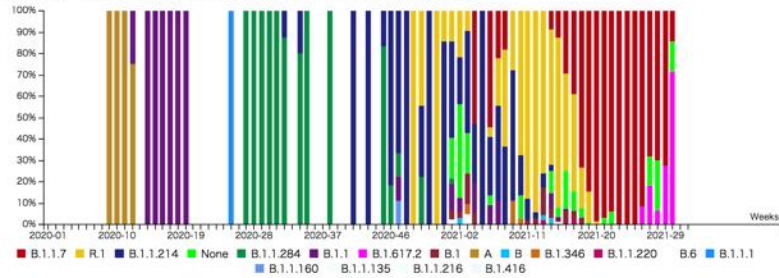
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

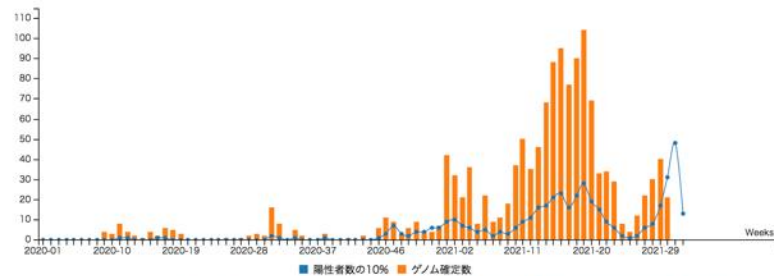
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Niigata] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



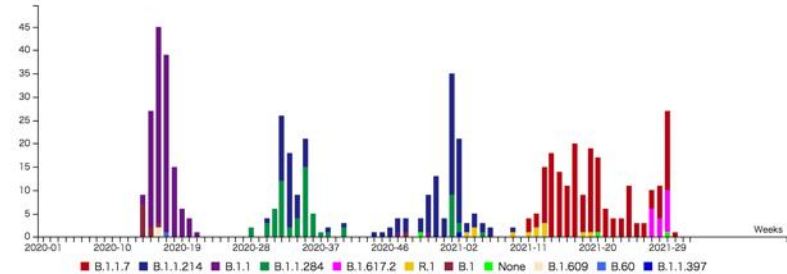
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

富山県

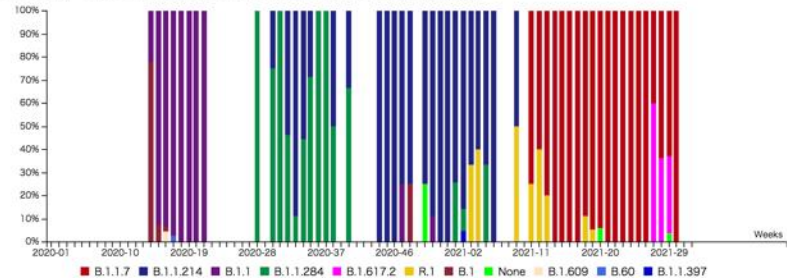
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

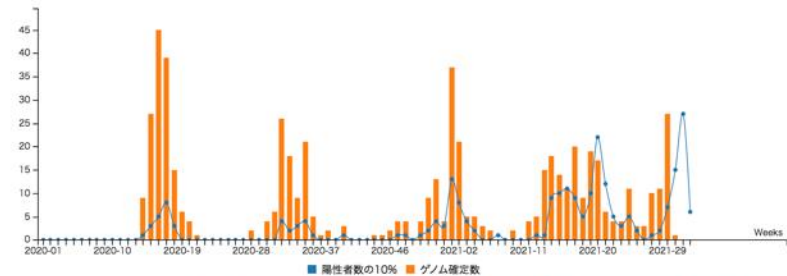
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Toyama] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



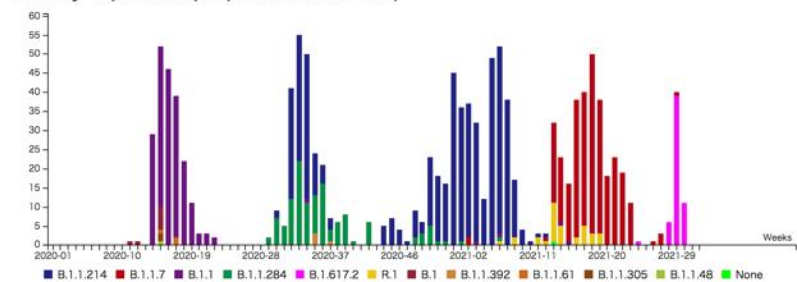
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

石川県

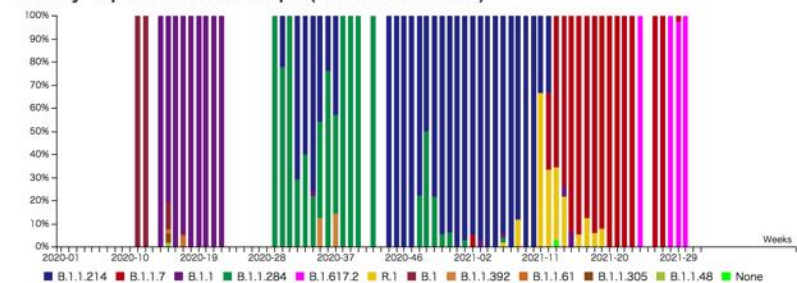
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

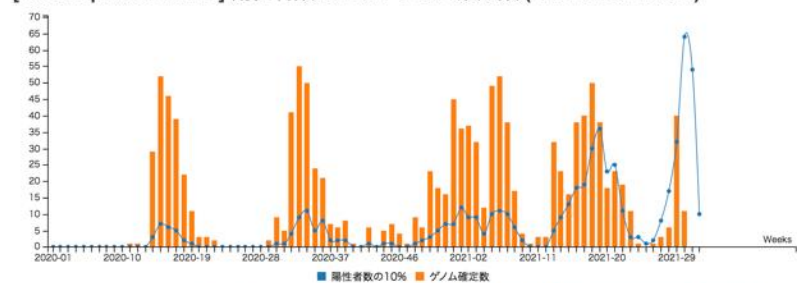
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Ishikawa] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



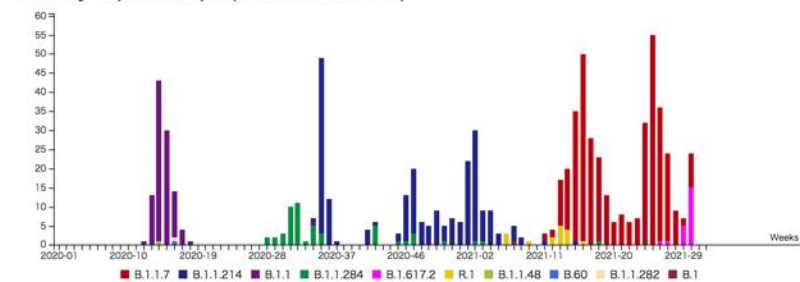
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

福井県

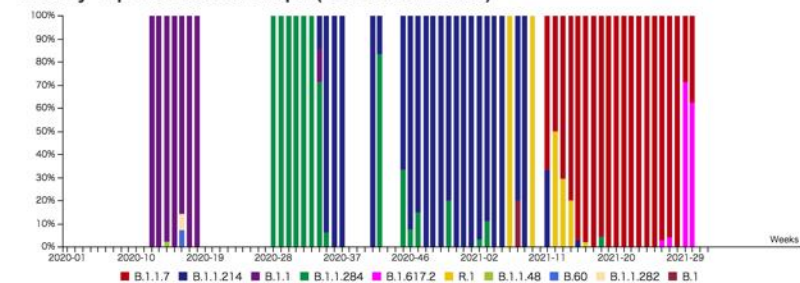
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

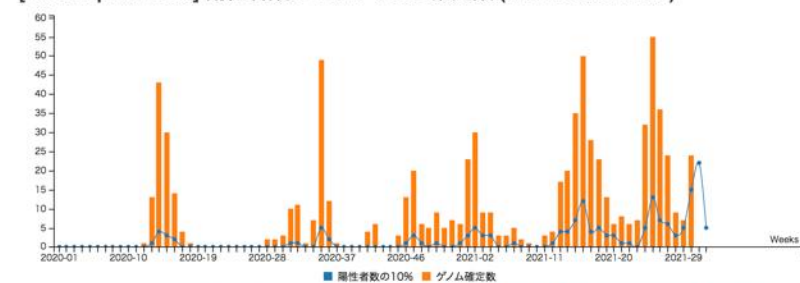
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Fukui] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



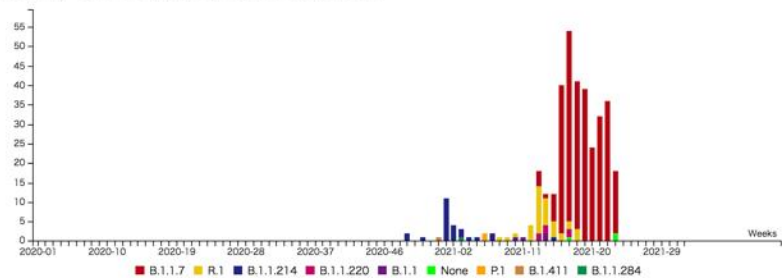
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

山梨県

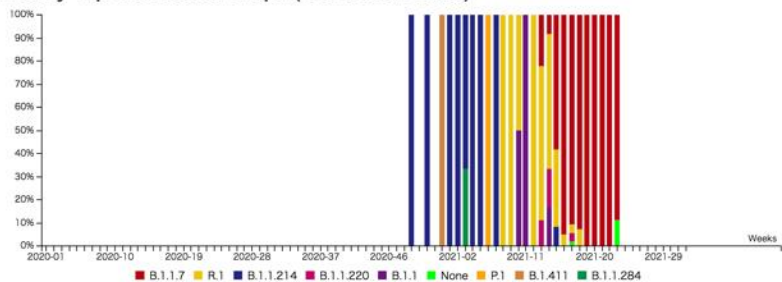
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

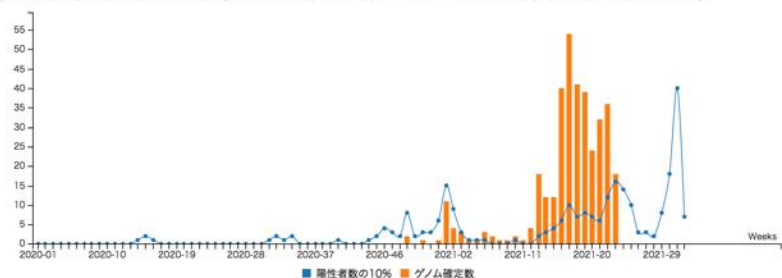
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Yamanashi] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



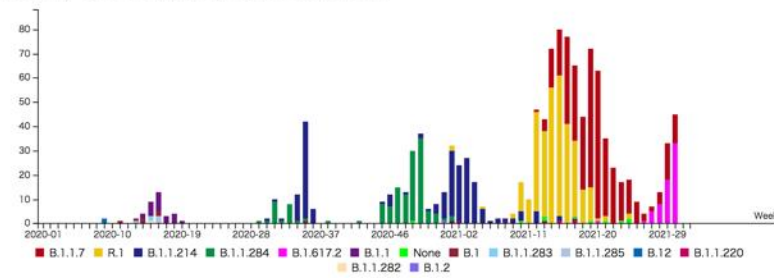
[陽性者数の計算について (集計元) 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>]

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

長野県

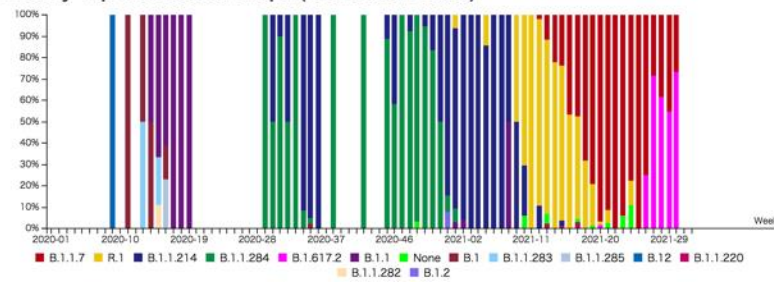
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

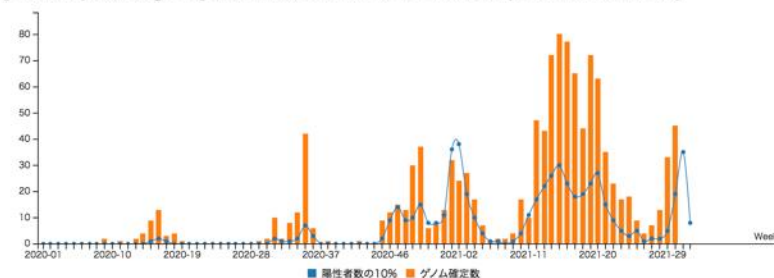
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Nagano] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



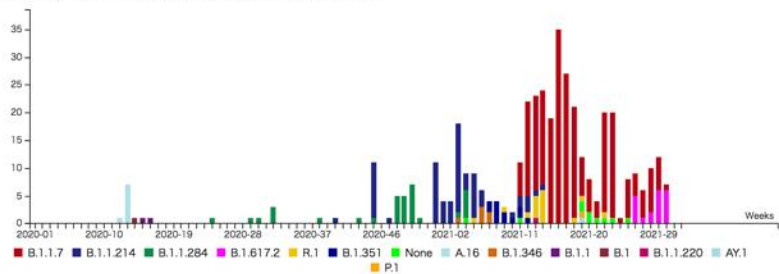
[陽性者数の計算について (集計元) 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>]

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

岐阜県

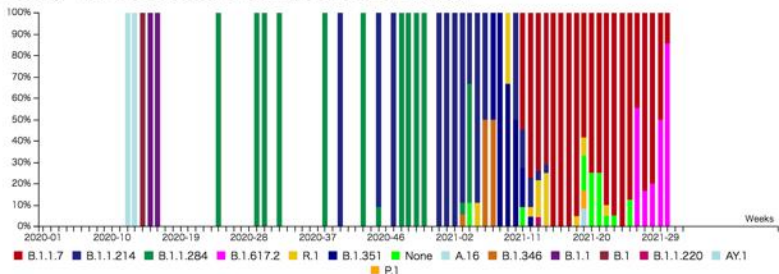
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

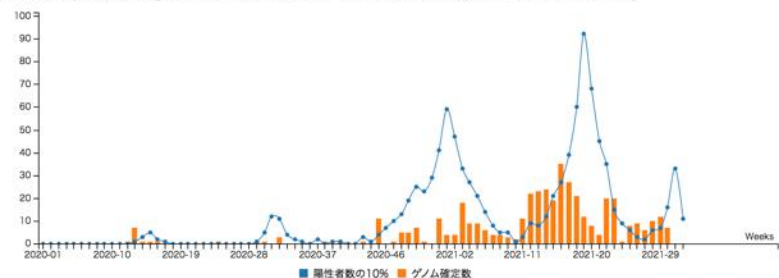
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Gifu] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



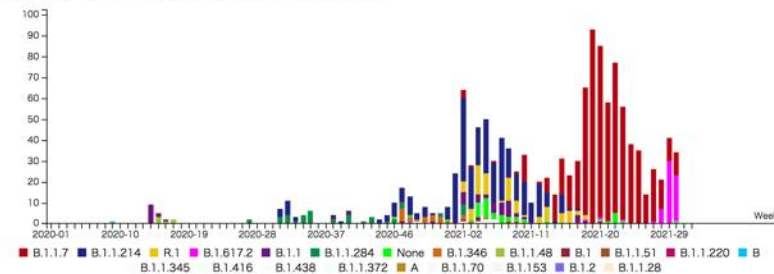
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

静岡県

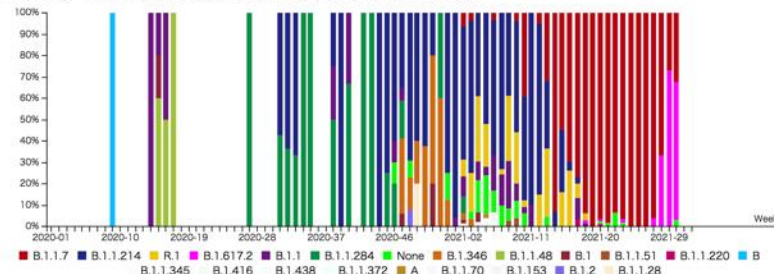
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

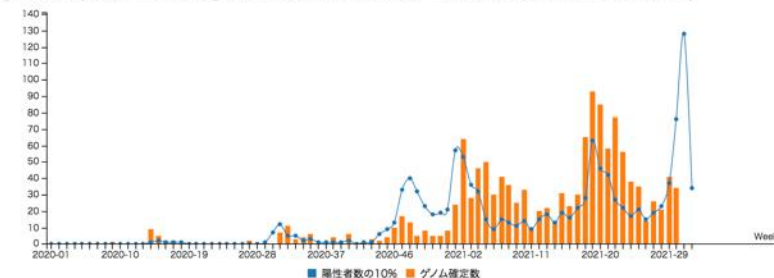
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Shizuoka] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



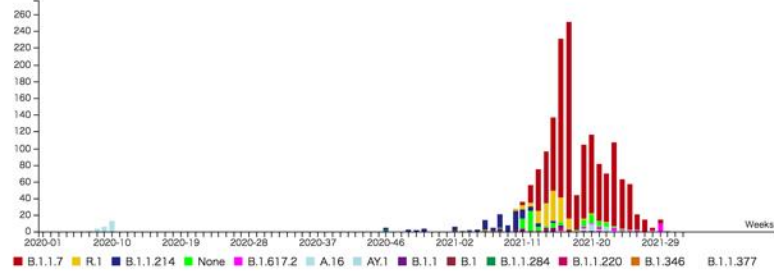
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

愛知県

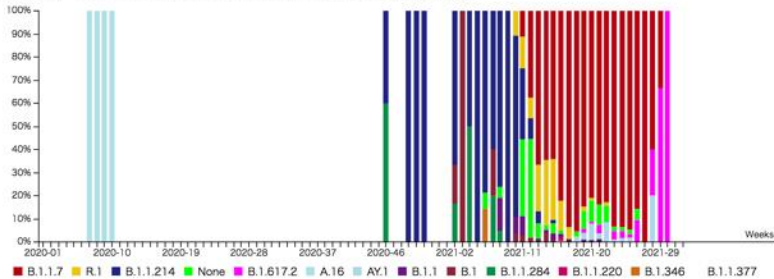
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

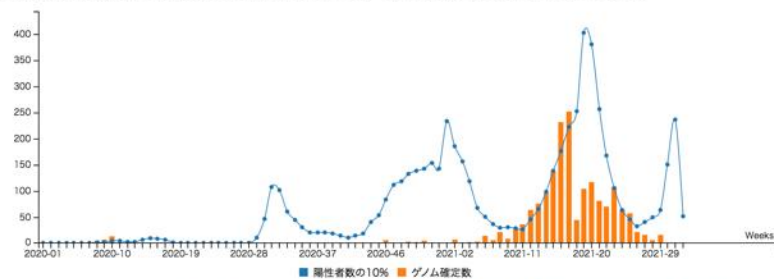
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Aichi] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



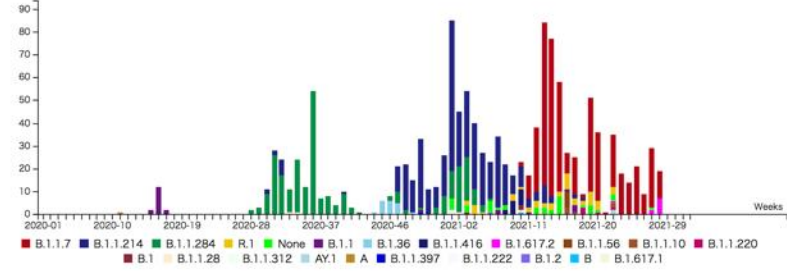
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

三重県

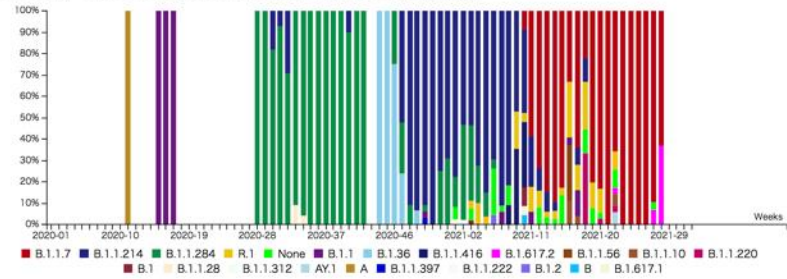
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

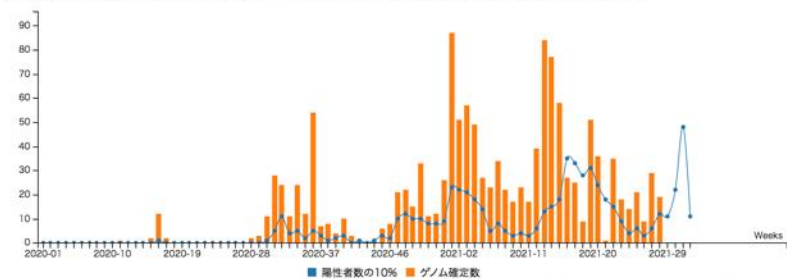
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Mie] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



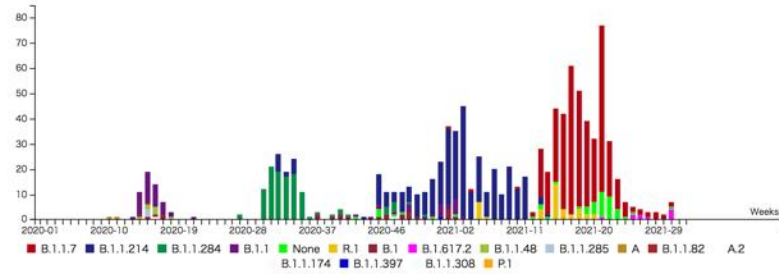
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

滋賀県

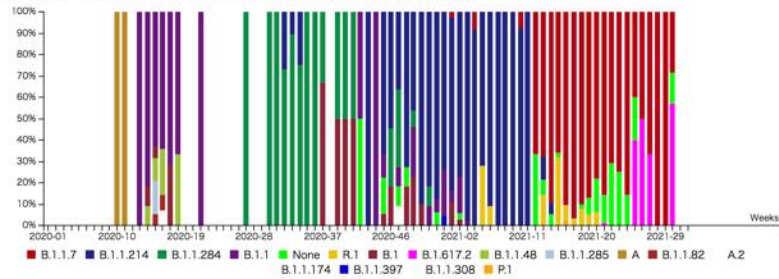
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

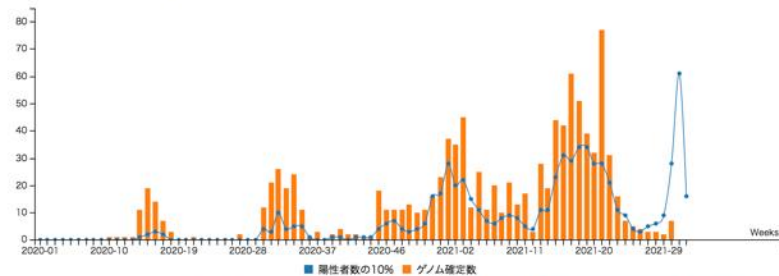
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Shiga] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)

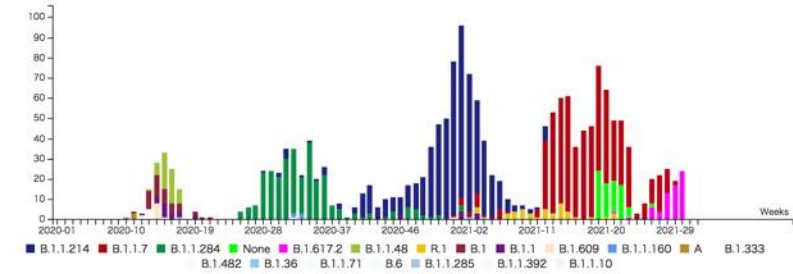


[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。
(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

京都府

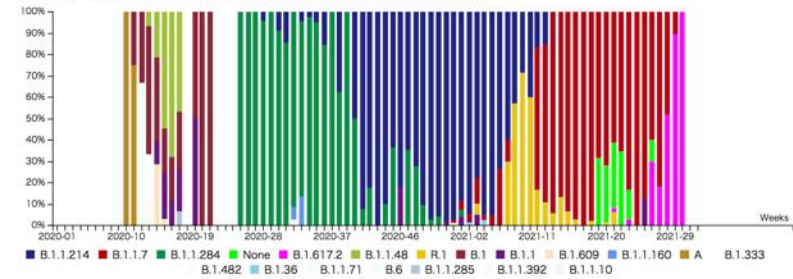
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

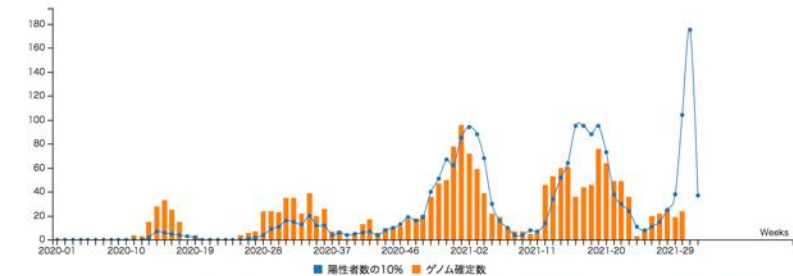
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Kyoto] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)

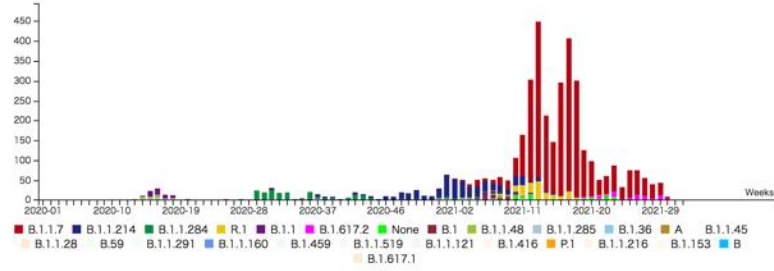


[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。
(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

大阪府

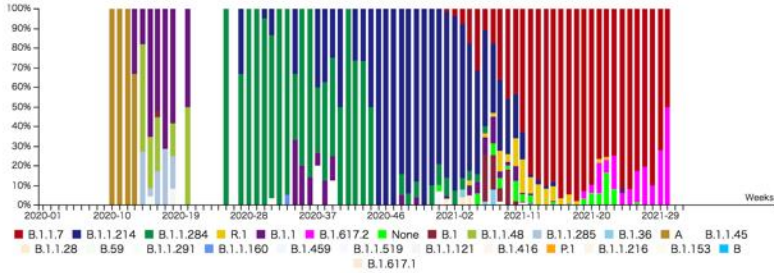
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

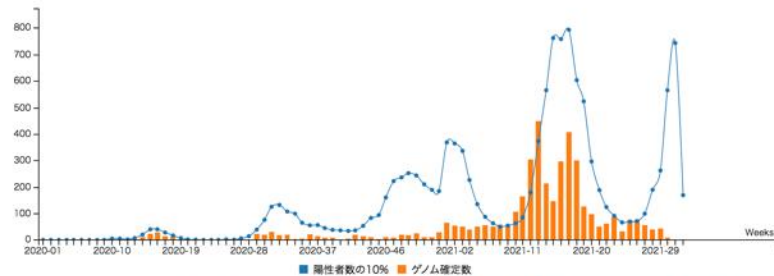
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Osaka] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



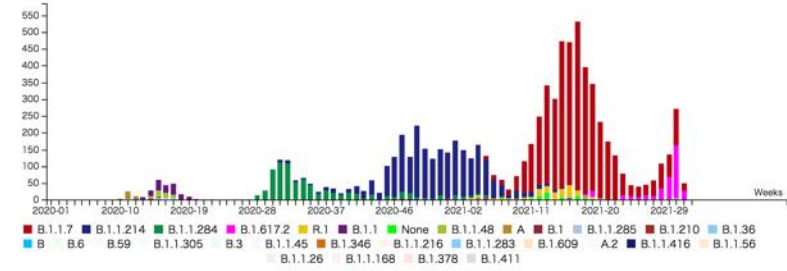
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

兵庫県

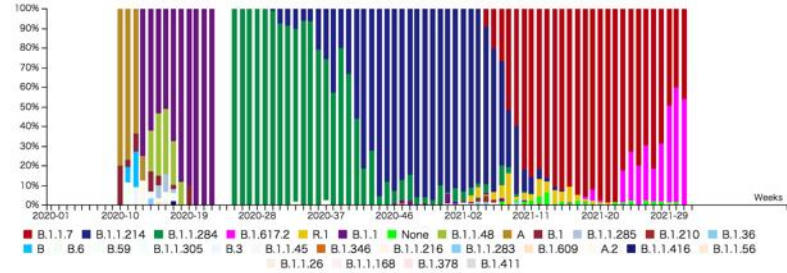
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

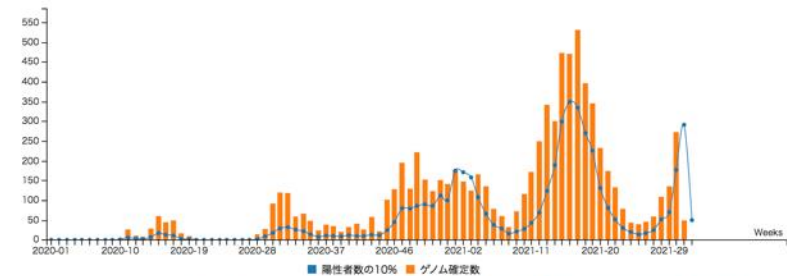
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Hyogo] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



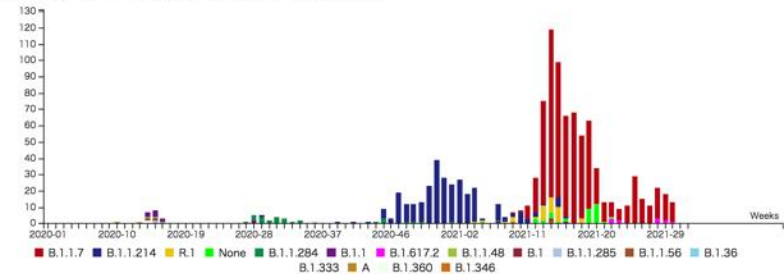
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

奈良県

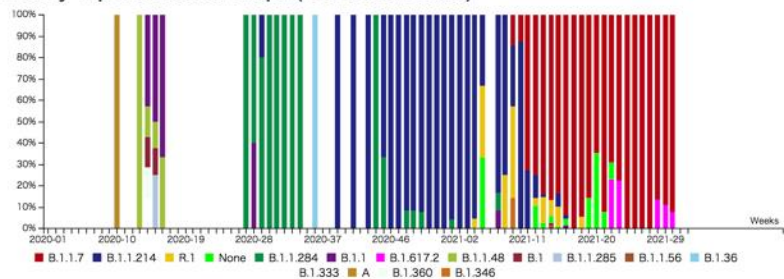
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

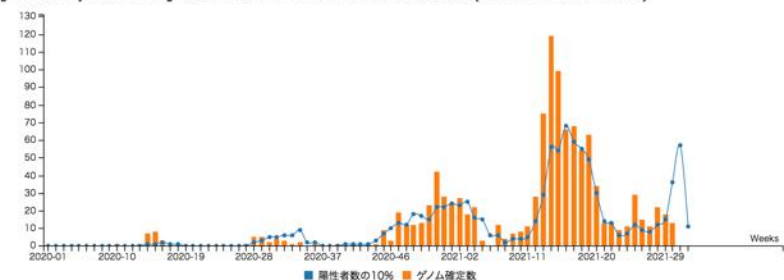
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Nara] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



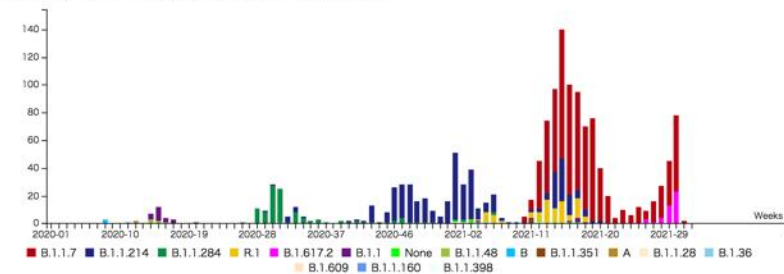
[陽性者数の計算について(集計元)] 情報:NHKまとめ(都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分(地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

和歌山県

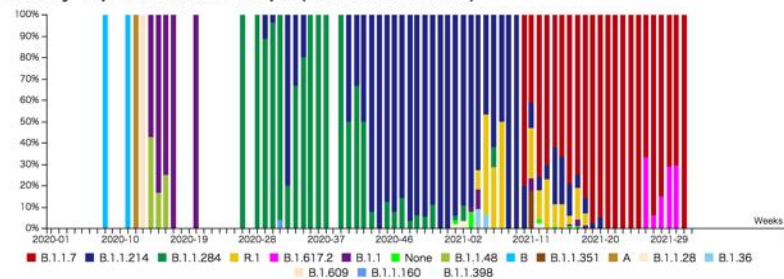
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

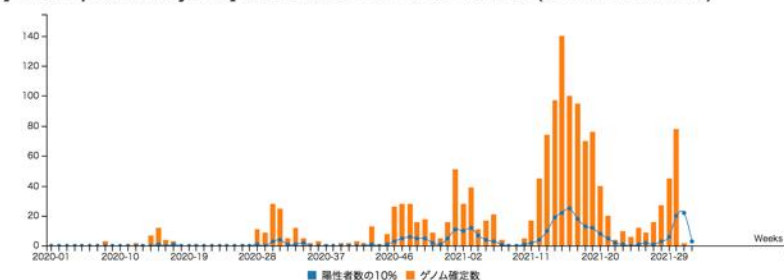
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Wakayama] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



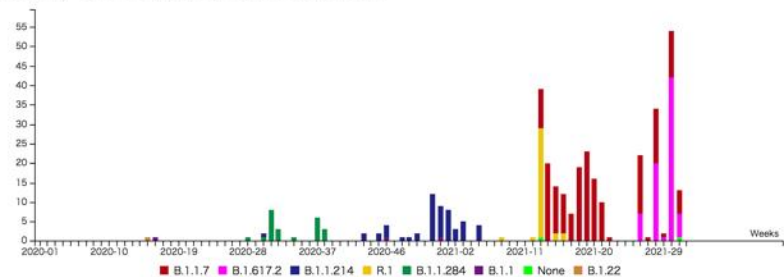
[陽性者数の計算について(集計元)] 情報:NHKまとめ(都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分(地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

鳥取県

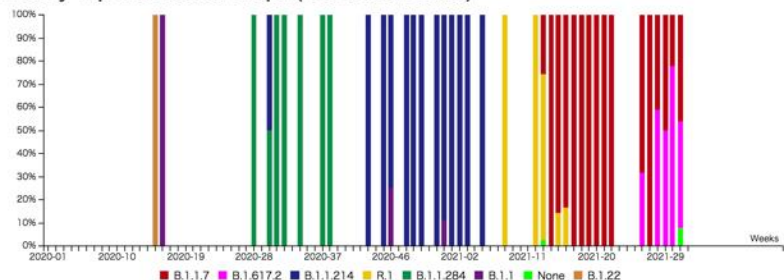
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

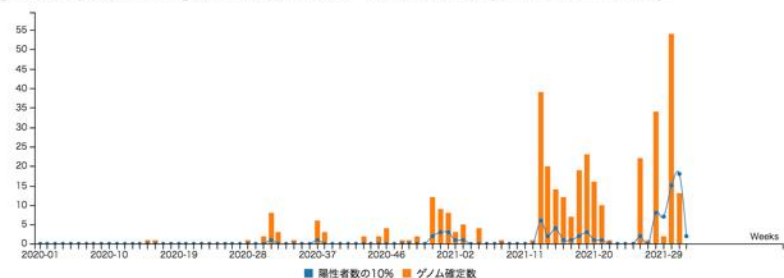
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Tottori] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



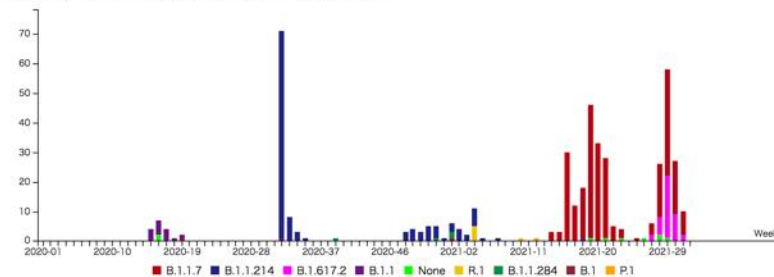
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

島根県

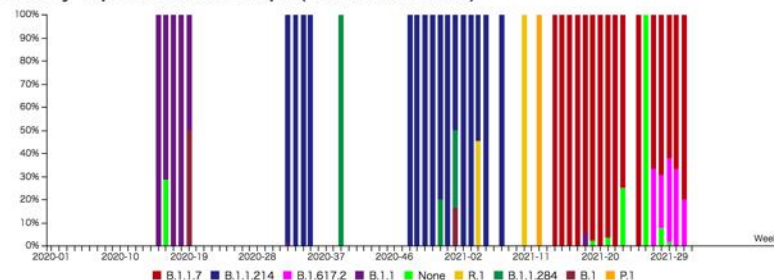
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

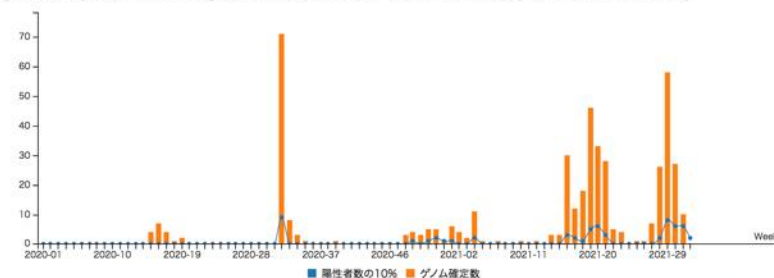
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Shimane] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



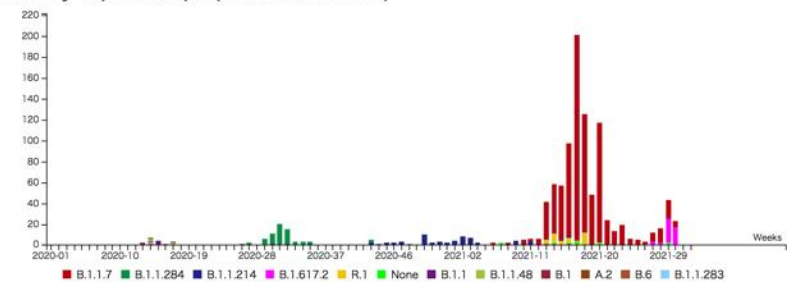
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

岡山県

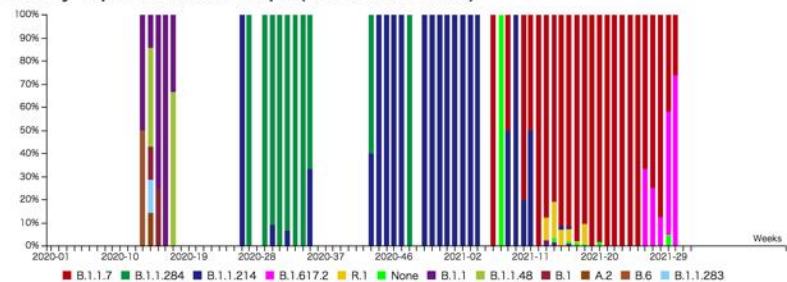
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

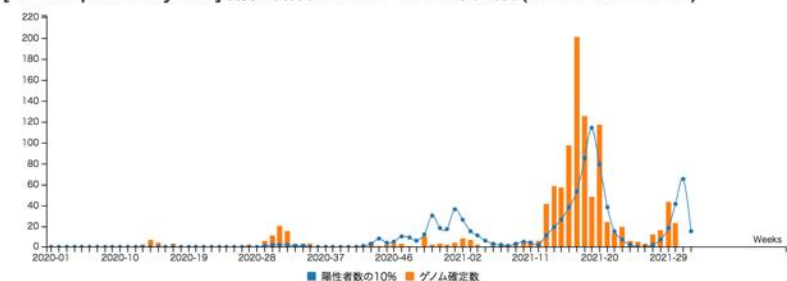
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Okayama] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



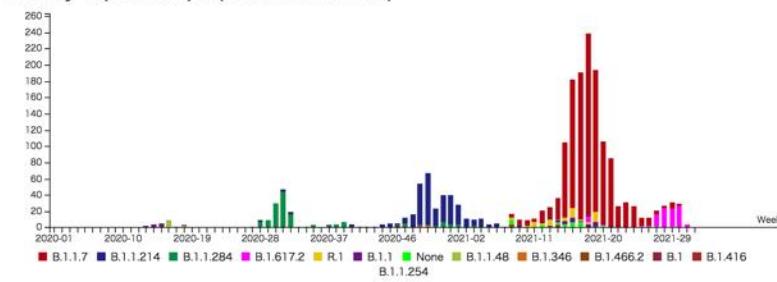
[陽性者数の計算について (集計元) 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

広島県

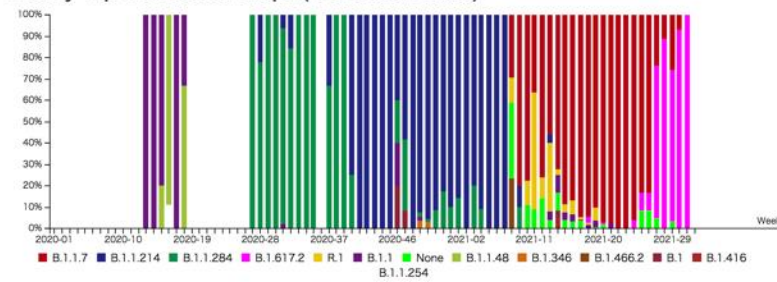
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

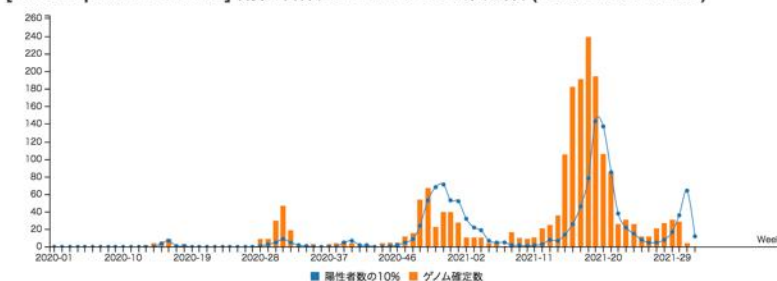
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Hiroshima] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



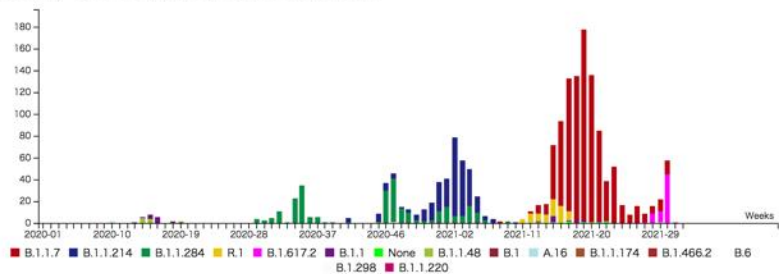
[陽性者数の計算について (集計元) 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

山口県

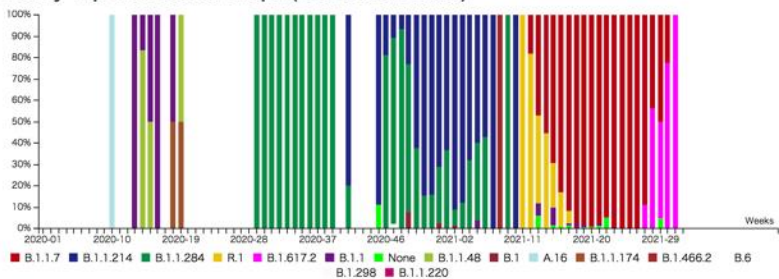
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

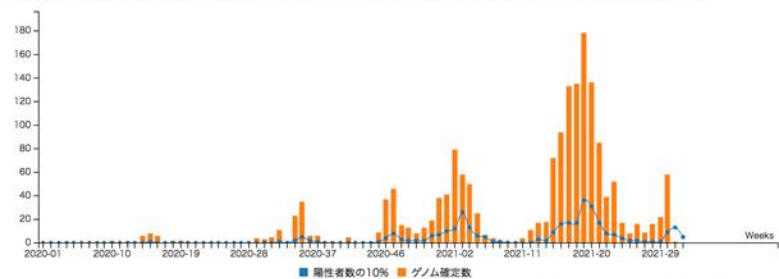
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Yamaguchi] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



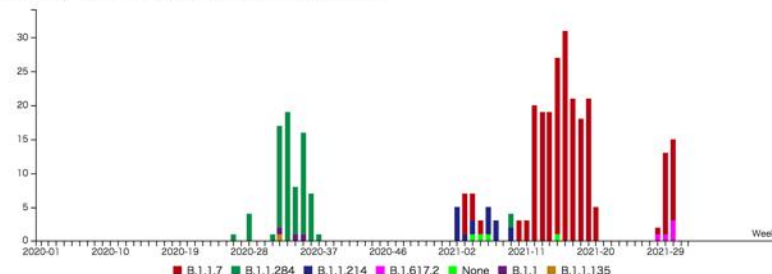
[陽性者数の計算について (集計元) 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>]

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

徳島県

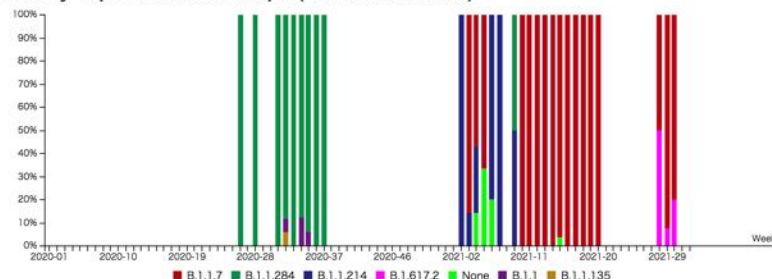
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

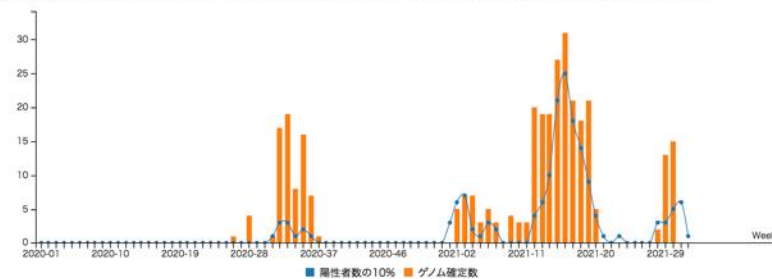
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Tokushima] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



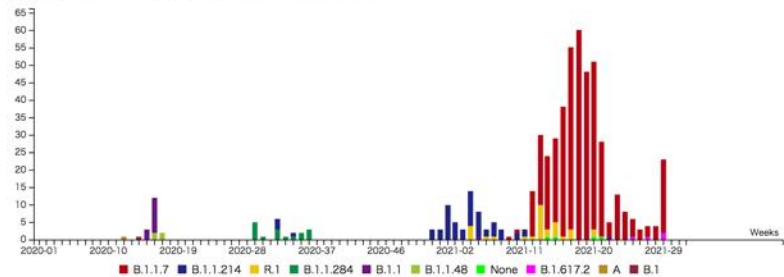
[陽性者数の計算について (集計元) 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>]

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解読分、自治体での解読分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解読分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

香川県

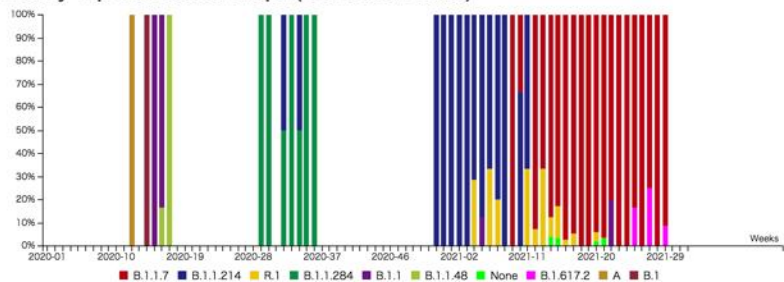
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

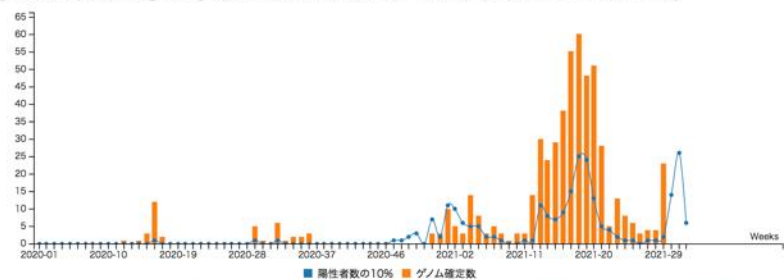
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Kagawa] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



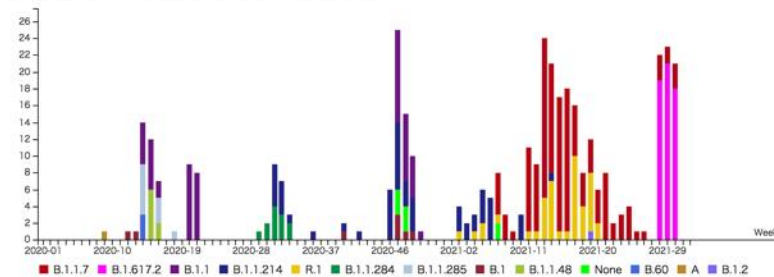
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

愛媛県

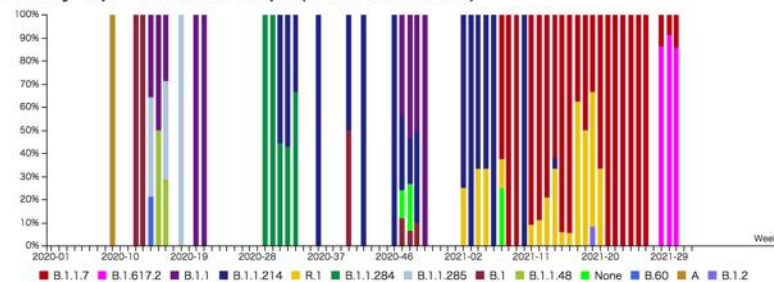
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

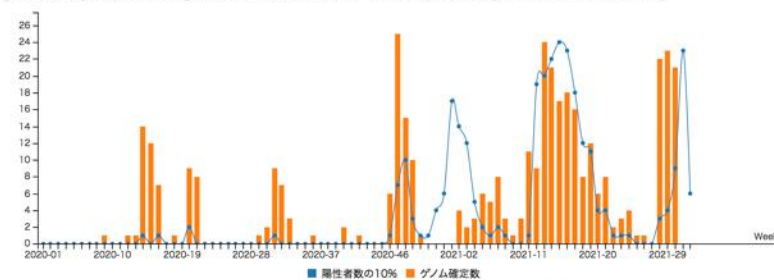
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Ehime] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



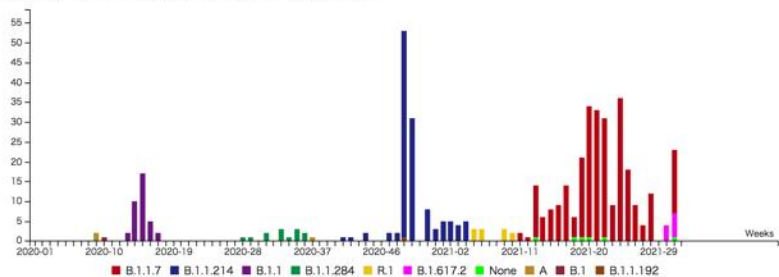
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

高知県

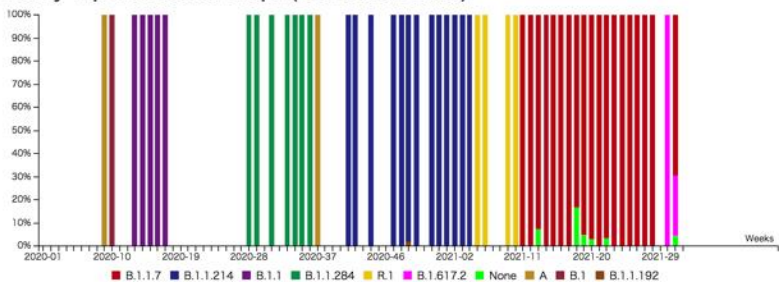
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

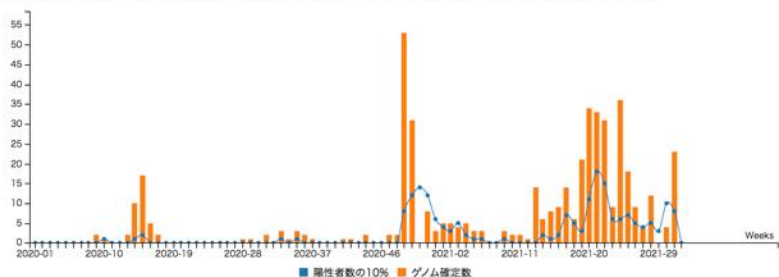
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Kochi] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



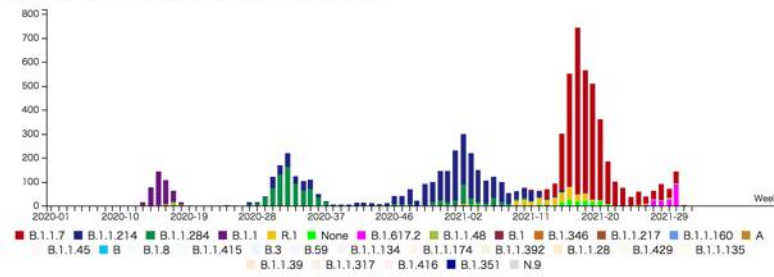
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

福岡県

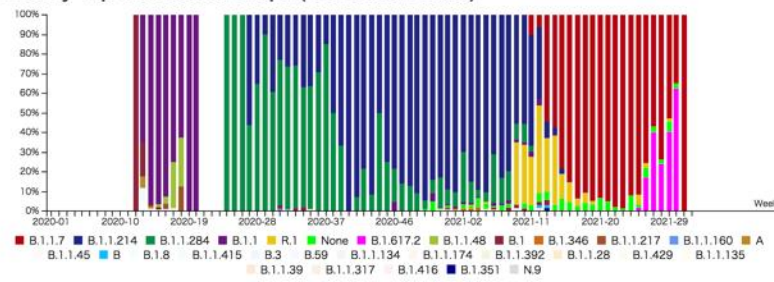
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

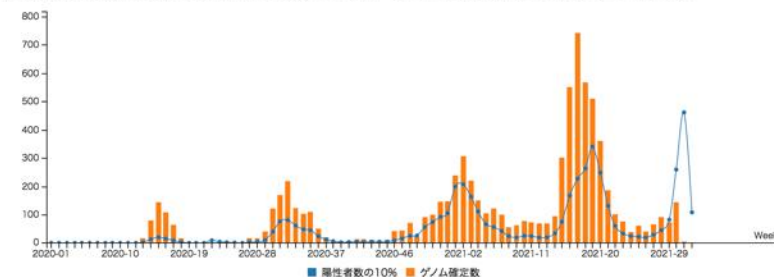
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Fukuoka] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



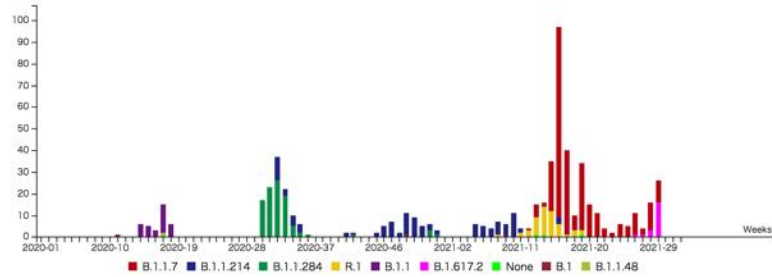
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

佐賀県

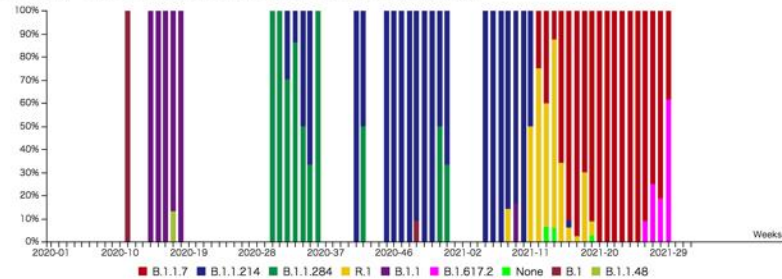
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

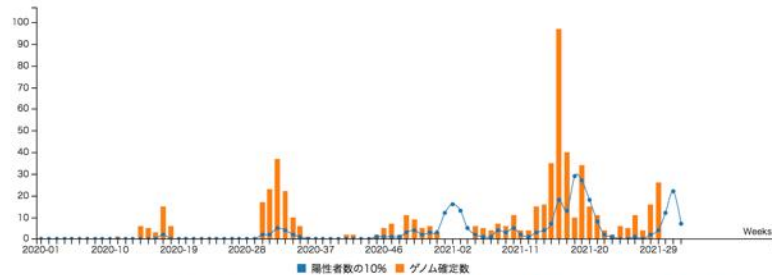
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Saga] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)

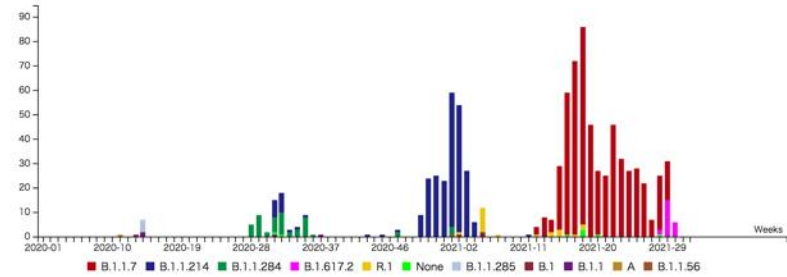


[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。
(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

長崎県

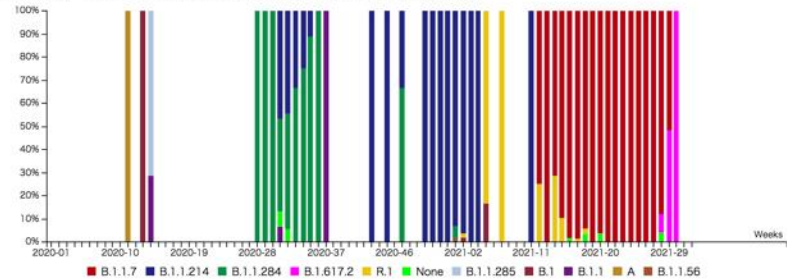
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

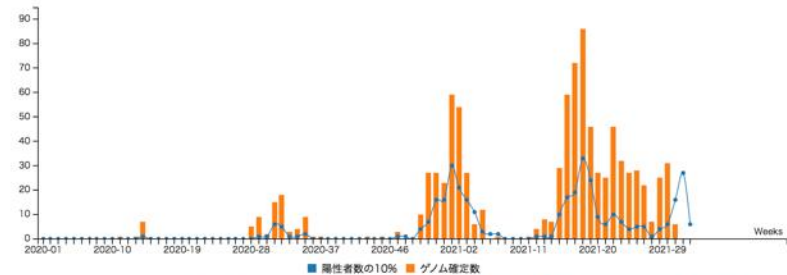
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Nagasaki] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)

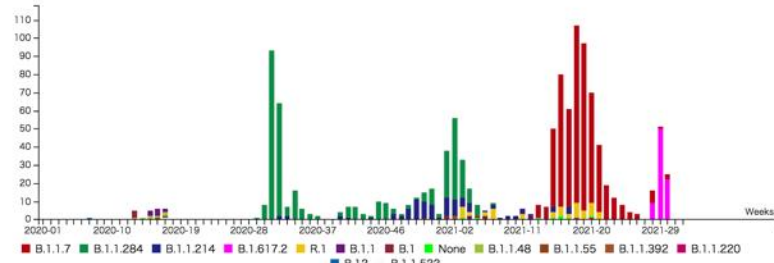


[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。
(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

熊本県

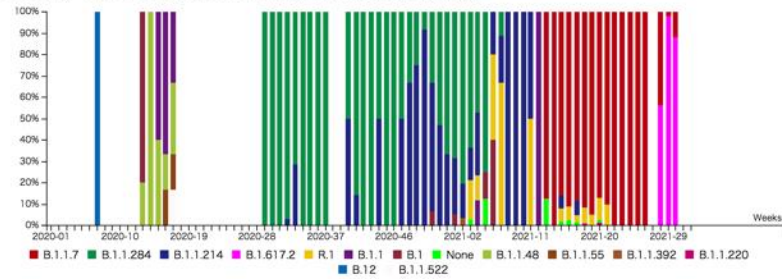
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

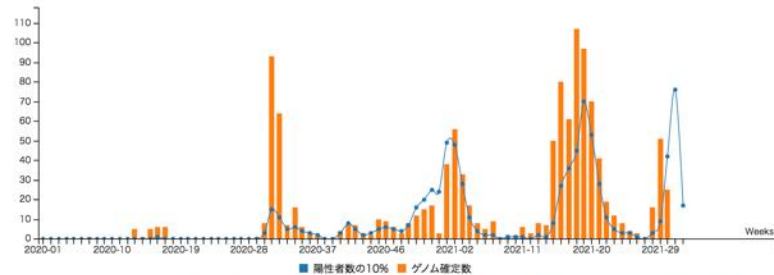
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Kumamoto] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



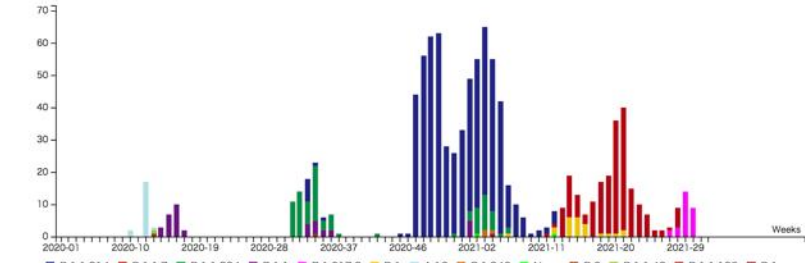
[陽性者数の計算について (集計元) 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

大分県

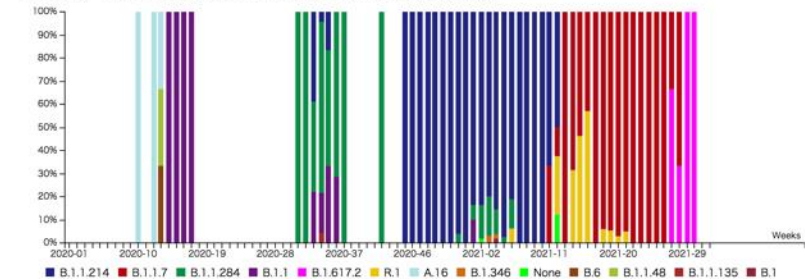
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

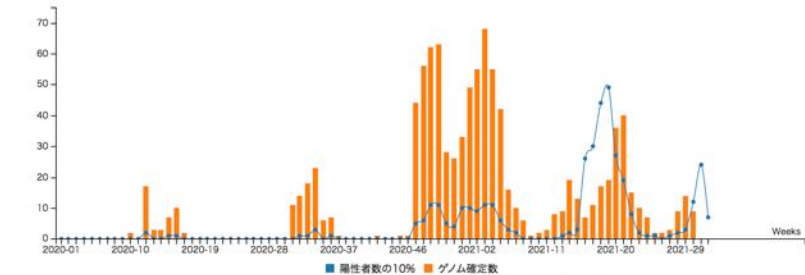
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Oita] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



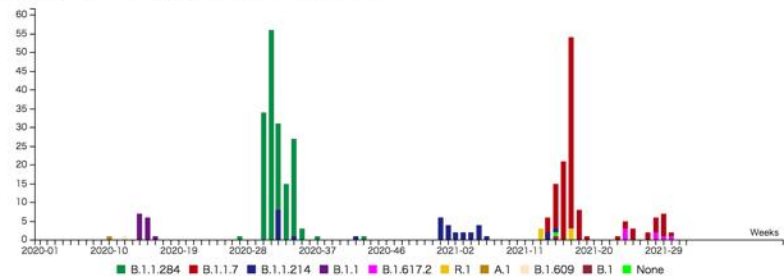
[陽性者数の計算について (集計元) 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

宮崎県

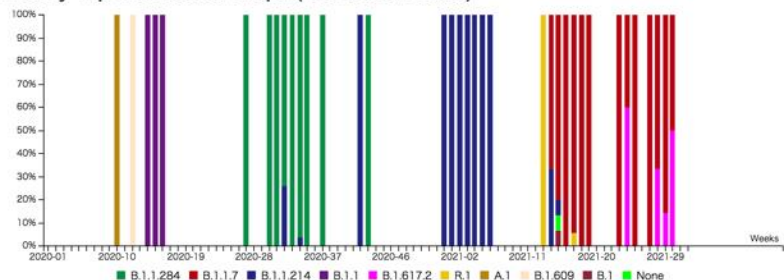
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

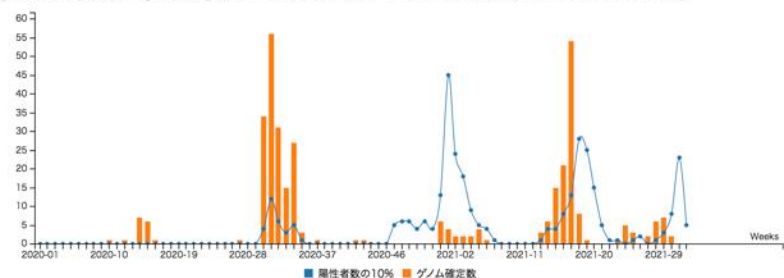
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Miyazaki] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



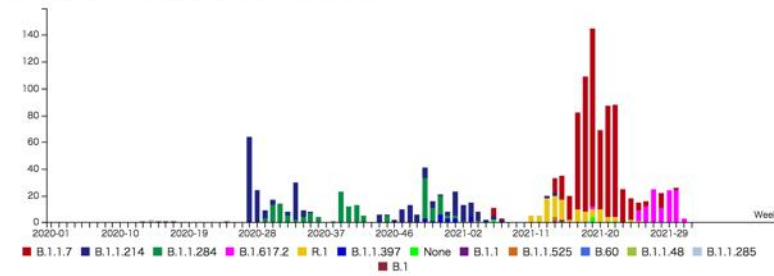
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

鹿児島県

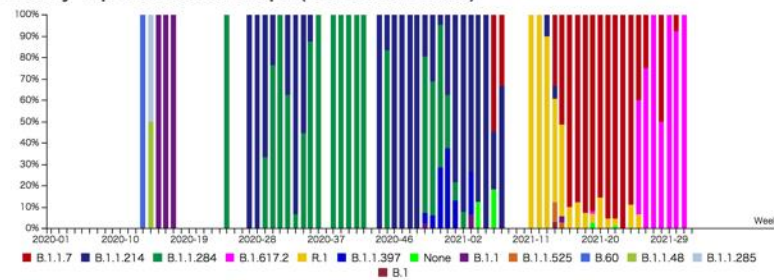
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

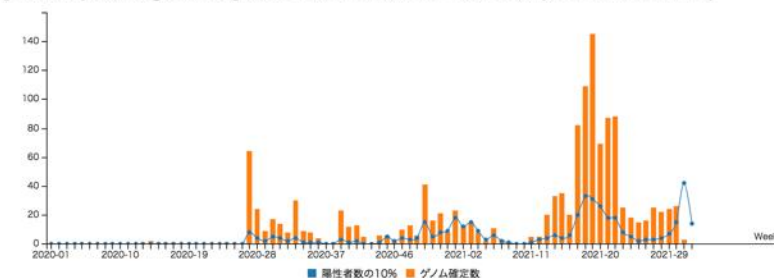
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Kagoshima] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



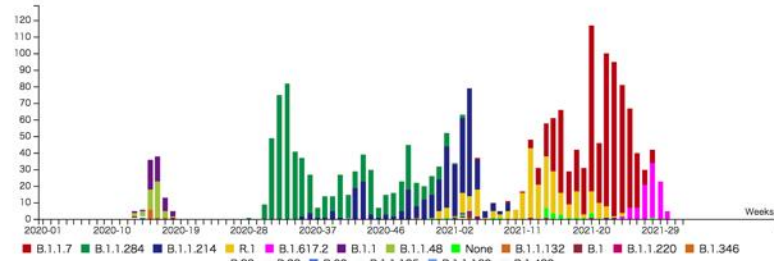
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

沖縄県

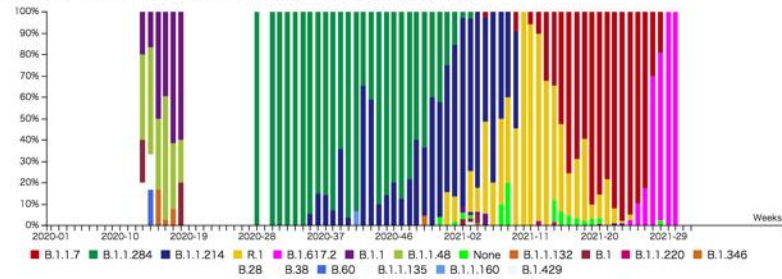
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

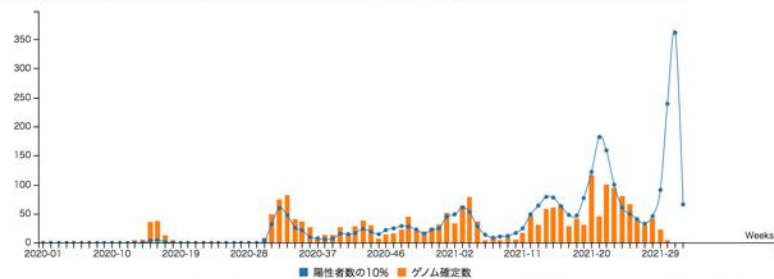
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Okinawa] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元)] 情報:NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染研での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

水際対策強化措置に係る国・地域の指定について
(要旨)

令和 3 年 8 月 11 日

1. 以下の 9 の国・地域を「水際対策上特に懸念すべき変異株に対する指定国・地域」に指定し、これらの国・地域に対して、追加的に、水際強化措置をとることとします。

- (1) アンドラ
- (2) イスラエル
- (3) カンボジア
- (4) フランス
- (5) 米国（アラスカ州、サウスカロライナ州、テネシー州、ネブラスカ州）
- (6) マルタ
- (7) モザンビーク
- (8) レバノン
- (9) ロシア（アムール州、ヴォルゴグラード州、オリョール州、カバルダ・バルカル共和国、北オセチア共和国）

2. アンドラ、イスラエル、カンボジア、フランス、米国（アラスカ州、サウスカロライナ州、テネシー州、ネブラスカ州）、マルタ、モザンビーク、レバノン及びロシア（アムール州、ヴォルゴグラード州、オリョール州、カバルダ・バルカル共和国、北オセチア共和国）からのすべての入国者及び帰国者については、令和 3 年 8 月 14 日午前 0 時からは検疫所長の指定する場所（検疫所が確保する宿泊施設に限る）で 3 日間待機いただき、入国後 3 日目に改めて検査を受けていただくこととなります。

3. 以下の 11 の国・地域の「水際対策上特に懸念すべき変異株に対する指定国・地域」については、今般、水際強化措置の変更を行うこととします。

- (1) インド
- (2) ザンビア
- (3) スリランカ
- (4) ネパール
- (5) モルディブ
- (6) 英国
- (7) パキスタン
- (8) マレーシア
- (9) ロシア（モスクワ市）
- (10) ウガンダ
- (11) ドミニカ共和国

4. インド、ザンビア、スリランカ、ネパール及びモルディブからのすべての入国者及び帰国者については、これまでは、検疫所長の指定する場所（検疫所が確保する宿泊施設に限る）で 10 日間待機いただき、入国後 3 日目、6 日目及び 10 日目に改めて検査を受けていただくこととしてお

りましたが、令和3年8月14日午前0時から検査所長の指定する場所（検査所が確保する宿泊施設に限る）で6日間待機いただき、入国後3日目及び6日目に改めて検査を受けていただくこととなります。また、インド、スリランカ、ネパール及びモルディブからの在留資格保持者の再入国は、引き続き、特段の事情がない限り、拒否することとします。

5. 英国、パキスタン、マレーシア及びロシア（モスクワ市）からのすべての入国者及び帰国者については、これまでは、検査所長の指定する場所（検査所が確保する宿泊施設に限る）で6日間待機いただき、入国後3日目及び6日目に改めて検査を受けていただくこととしておりましたが、令和3年8月14日午前0時から検査所長の指定する場所（検査所が確保する宿泊施設に限る）で3日間待機いただき、入国後3日目に改めて検査を受けていただくこととなります。

また、パキスタンからの在留資格保持者の再入国は、特段の事情がない限り、拒否することとしておりましたが、令和3年8月13日午前0からは、この措置を解除することといたします。

6. ウガンダ及びドミニカ共和国からのすべての入国者及び帰国者については、これまでは、検査所長の指定する場所（検査所が確保する宿泊施設に限る）で3日間待機いただき、入国後3日目に改めて検査を受けていただくこととしておりましたが、令和3年8月14日午前0からは、入国時の検査で陰性と判定された方については、検査所長の指定する場所での待機及び入国後3日目の検査を求めないこととし、入国後14日間の自宅等での待機をしていただくこととなります。

令和3年8月11日

水際対策強化に係る新たな措置（15）及び（16）に基づく
指定国・地域について

厚生労働省
健康局
結核感染症課
健康課
医薬・生活衛生局
生活衛生・食品安全企画課
検疫所業務管理室
外務省領事局政策課

「水際対策強化に係る新たな措置（15）」（令和3年6月28日）（以下「措置（15）」という。）及び「水際対策強化に係る新たな措置（16）」（令和3年7月6日）（以下「措置（16）」という。）に基づき、外務省及び厚生労働省において確認の都度、指定し公表するとされている国・地域は以下のとおりです。

1. 措置（15）の1（1）に基づく措置の対象国・地域

国・地域	指定日	1（1）に基づく措置の実施開始日時 （日本時間）

※ インド、スリランカ、ネパール及びモルディブについては令和3年6月28日付けで上記1.の対象国・地域に指定していたところ、今般、この指定を解除することとし、令和3年8月14日午前0時以降の入国者及び帰国者については、下記3.の対象国・地域としての措置を実施することとする。

2. 措置（16）に基づく措置の対象国・地域

国・地域	指定日	措置（16）に基づく措置の実施開始日時 （日本時間）
インドネシア、キルギス	令和3年7月6日	令和3年7月9日午前0時

※ ザンビアについては令和3年7月6日付けで上記2.の対象国・地域に指定していたところ、今般、この指定を解除することとし、令和3年8月14日午前0時以降の入国者及び帰国者については、下記4.の対象国・地域としての措置を実施することとする。

3. 措置（15）の1（2）全文に基づく措置の対象国・地域

国・地域	指定日	1（2）の前段に基づく措置の実施開始日時 （日本時間）	1（2）の後段に基づく措置の実施開始日時 （日本時間）
Bangladesh	令和3年6月28日	令和3年7月1日 午前0時	令和3年7月1日 午前0時
Afghanistan	令和3年8月2日	令和3年8月5日 午前0時	令和3年8月4日 午前0時
<u>インド</u> 、 <u>スリランカ</u> 、 <u>ネパール</u> 、 <u>モルディブ</u>	令和3年8月11日	令和3年8月14日 午前0時	令和3年8月13日 午前0時

※ パキスタンについては令和3年7月21日付けで上記3.の対象国・地域に指定していたところ、今般、この指定を解除することとし、令和3年8月14日午前0時以降の入国者及び帰国者については、下記5.の対象国・地域としての措置を実施することとする。また、令和3年8月13日午前0時から、措置（15）の1（2）の後段に基づく措置を解除する。

4. 措置（15）の1（2）前段に基づく措置の対象国・地域

国・地域	指定日	1（2）の前段に基づく措置の実施開始日時（日本時間）
アラブ首長国連邦	令和3年7月6日	令和3年7月9日午前0時
ミャンマー	令和3年7月21日	令和3年7月24日午前0時
<u>ザンビア</u>	令和3年8月11日	令和3年8月14日午前0時

※ 英国及びマレーシアについては令和3年6月28日、ロシア（モスクワ市）については令和3年7月15日付けで上記4.の対象国・地域に指定していたところ、今般、この指定を解除することとし、令和3年8月14日午前0時以降の入国者及び帰国者については、下記5.の対象国・地域としての措置を実施することとする。

5. 措置（15）の1（3）に基づく措置の対象国・地域

国・地域	指定日	1（3）に基づく措置の実施開始日時（日本時間）
アイルランド、オランダ、カザフスタン、ギリシャ、スペイン、タイ、チュニジア、デンマーク、フィリピン、ブラジル、米国（アイダホ州、アーカンソー州、アリゾナ州、オレゴン州、ケンタッキー州、コロラド州、ネバダ州、ミシシッピ州、モンタナ州、ルイジアナ州、ワ	令和3年6月28日	令和3年7月1日午前0時

シントン州)、ペルー、ベルギー、ポルトガル、南アフリカ共和国、ヨルダン、ロシア（モスクワ州、サンクトペテルブルク市）		
アルゼンチン、ウルグアイ、エクアドル、キューバ、コロンビア、スリナム、セーシェル、チリ、トリニダード・トバゴ、トルコ、パラグアイ、フィジー、米国（ユタ州、ワイオミング州）、ベネズエラ、ベラルーシ、ボリビア、リビア、ロシア（カレリア共和国、サラトフ州、ニジェゴロド州）	令和3年7月6日	令和3年7月9日午前0時
コスタリカ、ナミビア、ロシア（サハ共和国）	令和3年7月15日	令和3年7月18日午前0時
イラン、オマーン、米国（オクラホマ州、ミズーリ州）、ロシア（イヴァノヴォ州、ウラジーミル州）	令和3年7月21日	令和3年7月24日午前0時
ジョージア、ジンバブエ、タンザニア、フィンランド、米国（インディアナ州、カンザス州、テキサス州）、ルクセンブルク、ロシア（アストラハン州、ウドムルト共和国、クラスノヤルスク地方、チェリャビンスク州、トィヴァ共和国）	令和3年8月2日	令和3年8月5日午前0時
<u>アンドラ</u> 、 <u>イスラエル</u> 、 <u>英国</u> 、 <u>カンボジア</u> 、 <u>パキスタン</u> 、 <u>フランス</u> 、 <u>マルタ</u> 、 <u>マレーシア</u> 、 <u>モザンビーク</u> 、 <u>レバノン</u> 、 <u>米国</u> （ <u>アラスカ州</u> 、 <u>サウスカロライナ州</u> 、 <u>テネシー州</u> 、 <u>ネブラスカ州</u> ）、 <u>ロシア</u> （ <u>アムール州</u> 、 <u>ヴォルゴグラード州</u> 、 <u>オリョール州</u> 、 <u>カバルダ・バルカル共和国</u> 、 <u>北オセチア共和国</u> 、 <u>モスクワ市</u> ）	令和3年8月11日	令和3年8月14日午前0時

※ ドミニカ共和国については令和3年7月15日、ウガンダについては令和3年7月21日付け

で上記5. の対象国・地域に指定していたところ、今般、この指定を解除することとし、令和3年8月14日午前0時以降の入国者及び帰国者については、検疫所長の指定する場所での待機、入国後3日目の検査を求めないこととする。

6. 措置（15）の2に基づく措置の対象国・地域

国・地域	指定日	2に基づく措置の実施開始日時(日本時間)
米国（フロリダ州）	令和3年6月28日	令和3年7月1日午前0時

(以上)

水際対策強化に係る新たな措置（15）

（水際対策上特に懸念すべき変異株等に対する新たな指定国・地域について）

令和3年6月28日

1. 水際対策上特に懸念すべき変異株に対する指定国・地域

各国・地域における水際対策上特に懸念すべき変異株の市中感染の状況、各国・地域における新型コロナウイルス感染症の新規感染者数、直近の我が国の空港検疫における検査の陽性率等を踏まえ、各国・地域からの当該変異株の流入リスクを総合的に判断し、本措置に基づく別途の指定に沿って、「水際対策上特に懸念すべき変異株に対する指定国・地域」として、下記の追加的措置を実施することとする。

（1）別途指定する国・地域からのすべての入国者及び帰国者に対し、当分の間、検疫所長の指定する場所（検疫所が確保する宿泊施設に限る）での10日間の待機を求める。その上で、入国後3日目、6日目及び10日目に改めて検査を行い、いずれの検査においても陰性と判定された者については、検疫所が確保する宿泊施設を退所し、入国後14日目までの間自宅等待機を求めることとする。

また、これらの国・地域からの在留資格保持者の再入国は、当分の間、特段の事情がない限り、拒否することとする。

（2）別途指定する国・地域からのすべての入国者及び帰国者に対し、当分の間、検疫所長の指定する場所（検疫所が確保する宿泊施設に限る）での6日間の待機を求める。その上で、入国後3日目及び6日目に改めて検査を行い、いずれの検査においても陰性と判定された者については、検疫所が確保する宿泊施設を退所し、入国後14日目までの間自宅等待機を求めることとする。

また、このうち別途指定する一部の国・地域からの在留資格保持者の再入国は、当分の間、特段の事情がない限り、拒否することとする。

（3）別途指定する国・地域からのすべての入国者及び帰国者に対し、当分の間、検疫所長の指定する場所（検疫所が確保する宿泊施設に限る）での3日間の待機を求める。その上で、入国後3日目に改めて検査を行い、陰性と判定された者については、検疫所が確保する宿泊施設を退所し、入国後14日目までの間自宅等待機を求めることとする。

2. 水際対策上特に懸念すべき変異株以外の新型コロナウイルスに対する指定国・地域

上記1に基づく指定国・地域以外の国・地域について、各国・地域における新型コロナウイルス感染症の新規感染者数、直近の我が国の空港検疫における検査の陽性率等を踏まえ、各国・地域からの新型コロナウイルスの流入リスクを総合的に判断し、流入リスクが高いと判断される国・地域からのすべての入国者及び帰国者に対し、本措置に基づく別途の指定に沿って、「水際対策上特に懸念すべき変異株以外の新型コロナウイルスに対する指定国・地域」として、当分の間、検疫所長の指定する場所（検疫所が確保する宿泊施設に限る）での3日間の待機を求める。その上で、入国後3日目に改めて検査を行い、陰性と判定された者については、検疫所が確保する宿泊施設を退所し、入国後14日目までの間自宅等待機を求めることとする。

- (注1) 水際対策上特に懸念すべき変異株は、他の変異株と比較して感染力が高いものや、ワクチンの効果が低下する恐れがあるもの等、特に懸念すべき変異株とする。当該変異株の指定及び指定の解除については、外務省及び厚生労働省において確認の都度、別添1の書式で公表することとする。
- (注2) 上記に基づく指定国・地域については、措置の対象となる国・地域の指定、指定内容の変更及び指定の解除について、外務省及び厚生労働省において確認の都度、別添2の書式で公表することとし、「水際対策強化に係る新たな措置(8)」(令和3年2月2日)及び「水際対策強化に係る新たな措置(14)」(令和3年5月25日)それぞれの別添の書式は廃止する。
- (注3) 上記に基づく措置は、本邦への帰国日又は上陸申請日前14日以内に上記に基づく指定国・地域における滞在歴のある者を対象とする。
- (注4) 上記に基づく措置は、令和3年7月1日午前0時(日本時間)から行うものとし、同日時までは「水際対策強化に係る新たな措置(8)」(令和3年2月2日)による変異株流行国・地域への指定及び措置並びに「水際対策強化に係る新たな措置(13)」(令和3年5月18日)及び「水際対策強化に係る新たな措置(14)」(令和3年5月25日)による変異株B.1.617指定国・地域への指定及び措置を継続する。
- (注5) 上記に基づく措置の実施に伴い、「水際対策強化に係る新たな措置(3)」(令和2年12月25日)、「水際対策強化に係る新たな措置(4)」(令和2年12月26日)の「3. 検疫の強化」、「水際対策強化に係る新たな措置(8)」(令和3年2月2日)による変異株流行国・地域への指定及び措置並びに「水際対策強化に係る新たな措置(13)」(令和3年5月18日)及び「水際対策強化に係る新たな措置(14)」(令和3年5月25日)による変異株B.1.617指定国・地域への指定及び措置は全て廃止する。
- (注6) 上記に基づいて、令和3年6月29日以降に指定された国・地域については、検疫所長の指定する場所での待機は指定日の3日後の日の午前0時から実施し、在留資格保持者の再入国の原則拒否は指定日の2日後の日の午前0時から実施する。また、今後、上記に基づく指定内容の変更及び指定の解除について、検疫所の指定する場所での待機に係る指定の変更または解除は公表日の3日後の日の午前0時から実施し、在留資格保持者の再入国の原則拒否に係る指定の変更または解除は公表日の2日後の日の午前0時から実施する。
- (注7) アフガニスタン、インド、スリランカ、ネパール、パキスタン、バングラデシュ及びモルディブに対する令和3年6月28日の指定の際を除き、上記に基づく在留資格保持者の再入国の原則拒否は、指定日の2日後の午前0時(日本時間)前に当該措置対象国・地域を出発し、同時刻以降に本邦に到着した者は対象としない。
- (注8) 上記に基づく在留資格保持者の再入国の原則拒否について、指定日の翌日までに再入国許可をもって出国した「永住者」、「日本人の配偶者等」、「永住者の配偶者等」又は「定住者」の在留資格を有する者が、当該措置対象国・地域から再入国する場合は、原則として、特段の事情があるものとし、また、指定日の2日後以降に出国した者については、この限りではない。なお、「特別永住者」については、この再入国拒否対象とはならない。
- ただし、インド、パキスタン及びネパールから再入国する場合は令和3年5月13日までに、バングラデシュ及びモルディブから再入国する場合は令和3年5月19日までに、スリランカから再入国する場合は令和3年5月20日までに、アフガニスタンから再入国する場合は令和3年6月2日までに、それぞれ再入国許可をもって出国した「永住者」、「日本人の配偶者等」、「永住者の配偶者等」又は「定住者」の在留資格を有する者については、原則として、特段の事情があるものとする。

(以上)

水際対策強化に係る新たな措置（16）
（水際対策上特に懸念すべき変異株等に対する指定国・地域について）

令和3年7月6日

「水際対策上特に懸念すべき変異株に対する指定国・地域」のうち、本措置に基づいて別途指定する国・地域からのすべての入国者及び帰国者に対し、当分の間、検疫所長の指定する場所（検疫所が確保する宿泊施設に限る）での10日間の待機を求める。その上で、入国後3日目、6日目及び10日目に改めて検査を行い、いずれの検査においても陰性と判定された者については、検疫所が確保する宿泊施設を退所し、入国後14日目までの間自宅等待機を求めることとする。

（注1）「水際対策強化に係る新たな措置（15）」（令和3年6月28日）（以下「措置（15）」という。）及び上記に基づく指定国・地域については、今後、措置の対象となる国・地域の指定、指定内容の変更及び指定の解除について、外務省及び厚生労働省において確認の都度、別添の書式で公表する。「措置（15）」別添2の書式は廃止する。

（注2）上記に基づく措置は、本邦への帰国日又は上陸申請日前14日以内に上記に基づく指定国・地域における滞在歴のある者を対象とする。

（注3）上記に基づいて指定された措置は、指定日の3日後の日の午前0時から実施する。また、今後、上記に基づく指定内容の変更及び指定の解除は、公表日の3日後の日の午前0時から実施する。

（以上）