

薬剤耐性遺伝子が、

- いつ、どこで
- どのような臨床・家畜検体
- どの菌種、どの遺伝型の菌株
- どのような伝達プラスミド

を迅速検索できるデータベース

## 薬剤耐性腸内細菌科細菌を中心に

(2016年11月)

1,957株



|      |       |
|------|-------|
| 患者 : | 1,467 |
| 家畜 : | 357   |
| 環境 : | 133   |



5,162 プラスミド (draft)  
(現状、AMED研究班員のための Closed database)

(参考) 世界の公共データベース(2016年11月)  
8,491 プラスミド (complete 完全長配列)

# GenEpid-J 解説・登録数の外観のみマップ表示



GenEpid-J Database Public Disclosure

[https://gph.niid.go.jp/gs\\_app/genepid-j\\_release/](https://gph.niid.go.jp/gs_app/genepid-j_release/)

Sequences Distribution ( Map )

AMR



Cholera

E.coli

Dengue

Norovirus

Salmonella

Staphylococcus

TB

## What's GenEpid-J ? --- Genomics + Epidemiology ---

**GenEpid-J:** An integrated database of pathogen genomics and epidemiology focused on plasmids involving in the antimicrobial resistance

Developed by [Pathogen Genomics Center, NIID \(Japan\)](#)

## Announcements

13 Jan 2017 | GenEpid-J Database Public Disclosure Page is available.

## Analyzing Tools



**MePIC**

Metagenomics Pathogen Identification for Clinical Specimens



**TGS-TB**

Total Genotyping Solution for Mycobacterium tuberculosis



**VirusTAP**

Viral Genome-Targeted Assembly Pipeline

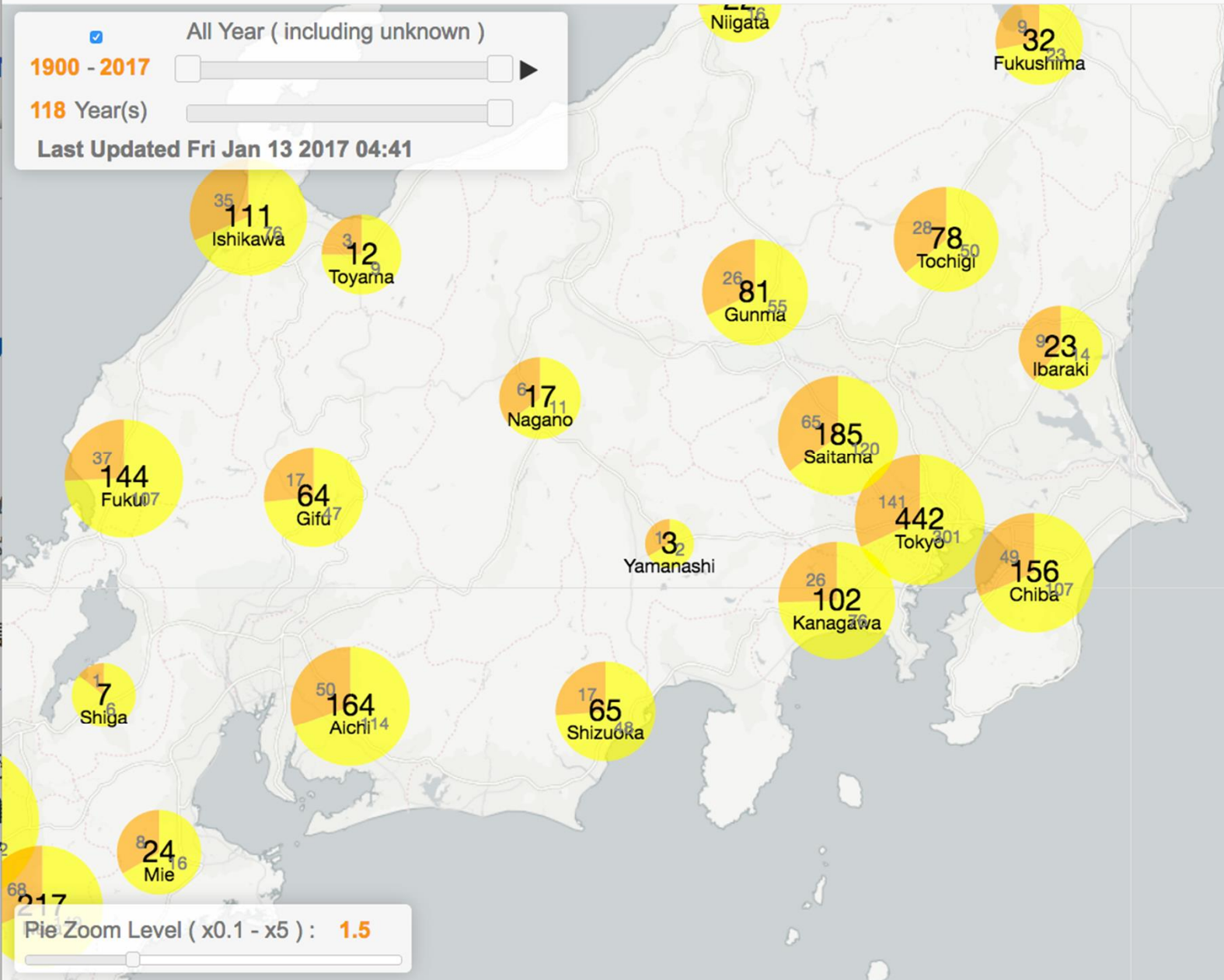
All Year ( including unknown )

1900 - 2017

118 Year(s)

Last Updated Fri Jan 13 2017 04:41

- All Category
- plasmid
- chromosome
- whole
- metagenome
- N/A

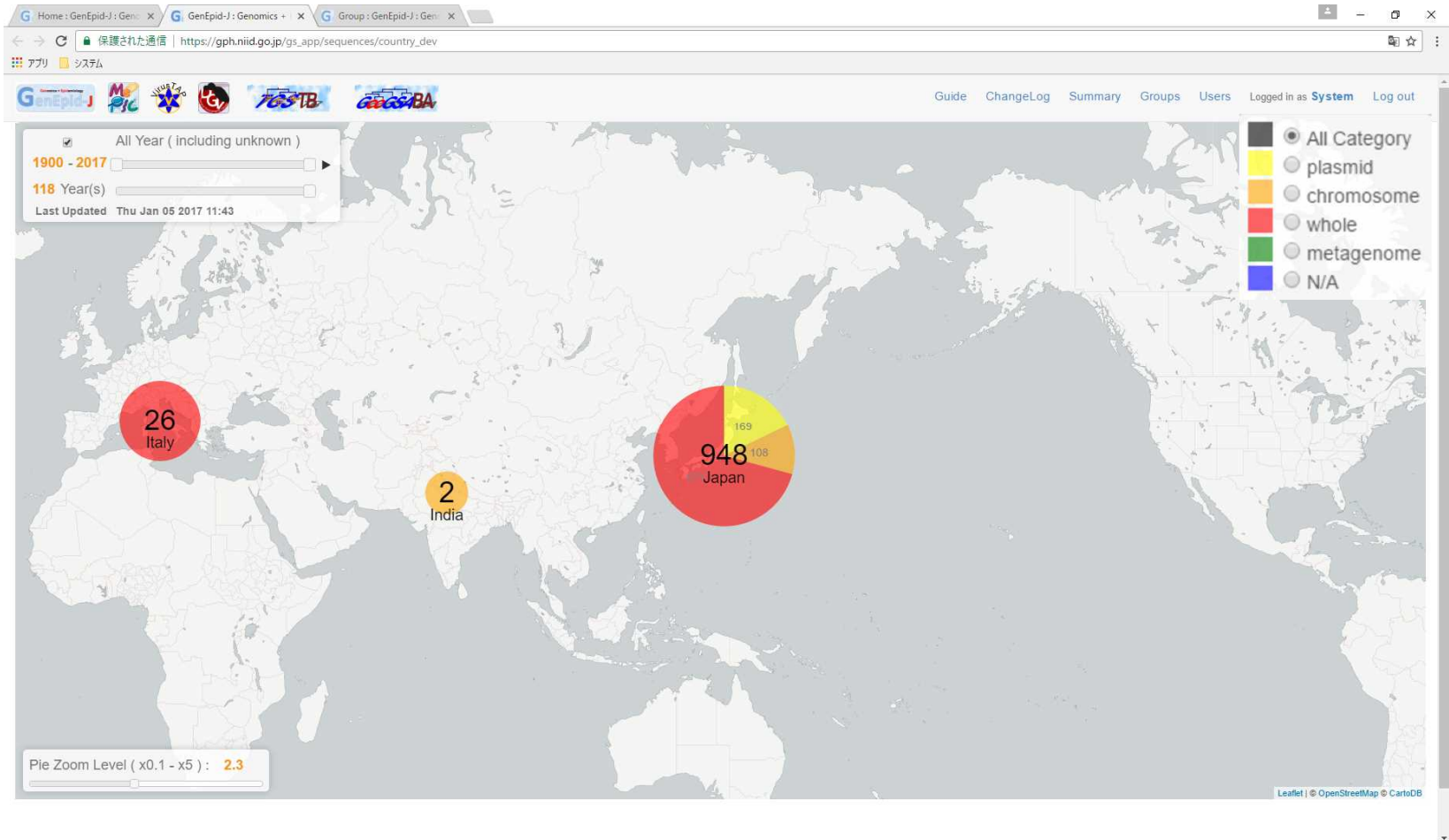


Pie Zoom Level ( x0.1 - x5 ) : 1.5

# 例 Salmonella

## 地方衛生研究所・動衛研等の日本メンバー登録

### Country 分布



# 今後の進展および希望的観測

米国FDA は4万株を超えるSalmonella ゲノムデータを蓄積済み

<http://www.fda.gov/Food/FoodScienceResearch/WholeGenomeSequencingProgramWGS/ucm403550.htm>

<http://www.fda.gov/Food/FoodScienceResearch/WholeGenomeSequencingProgramWGS/ucm363134.htm>



NCBI 公開データベースから**サルモネラ**  
**～7万株** を GenEpid-J にも格納し、  
各位ご提供の解読株の分子系統比較をシームレスに実施できる体制を整備する  
(**おそらく、半年以上の時間が必要です**)



最終的には、海外株との比較のみではなく、  
自治体・地研各位のデータも比較解析できるよう、国内の流通経路推定へと役立てられないかと考えています。

Total Number of Sequences in the GenomeTrakr Database

